AlignACE 3.0 04/13/02   
/usr/jhughes/bin/AlignACE -i /home/alignace/notgiven-43819.seq -numcols 10 -expect 13 -gcback 0.38    
Parameter values:   
 expect =       13   
 gcback =       0.38   
 minpass =      200   
 seed =         1298678055   
 numcols =      10   
 undersample =  1   
 oversample =  1   
  
Input sequences:   
#0 mRNA   
  
Motif 1   
GGCTGGCATCGAGGCGCGCGCGGTG 0 2848 0   
GCCCGGGGCCCCGAGCGGGCAGCAG 0 184 0   
GGCTGTCGCCATGAGGTGGTGGATG 0 1711 1   
GCCAGCCAGCTGGAAGCTGCAGGTG 0 1956 1   
GTCCGTGGTCAGCCGGAAGTAGCCG 0 1137 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
CGCTGCGTGCACCGCGACCTGGCCG 0 2929 1   
GACAGAGGTGCTGCTGAAGGTCATG 0 1749 1   
CTCGGGGGCCACCCAGGGGATCCTG 0 2157 0   
CACGGAGAAGATGTGGCTCGGGGGG 0 345 0   
CACTCTGGCCCTGGGGCTGGGGAAG 0 5294 1   
GCGCGAGAGCAGGCCCAGCGGCCGG 0 619 1   
GTGGGCCTCCCTGGGGCCCTTGGTG 0 865 1   
GCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTAG 0 4582 1   
GTCTGCCTGGCAGGCGGCCACGCGG 0 765 0   
GGCCGTGTTGGACCTGGCCCGGATG 0 594 1   
GGGGGGCTGCACGTAGATGGGGTGG 0 1477 1   
CCCGGGCCGCCAGAGCCTGCGGCTG 0 2775 1   
GGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
GTCACTCAGCTTGATGAAGGGCGGG 0 2088 0   
GCGAGAGAAGATGTTGTCCGAGAGG 0 3093 0   
GACTGAGGCCCACGGGGAGGCGCCC 0 541 0   
CCGAGGCTGCTGGAGGAAGTGGCCG 0 1195 1   
CTCGCAGATCTGCAAGGGCATGGAG 0 2889 1   
CGCGGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTG 0 892 0   
CGCCGTGGAGCAGCACGAGATGCCG 0 1843 0   
CACAGGCAGGATGCCGCTGGCCTTG 0 273 0   
GGGGGTGTTCCTGAAGTAGAGGACC 0 3571 0   
CGCCCTGGGCCCCCAGCTGGACATG 0 3366 1   
CTCTGTCCACTTGGGGGCCGGCAGC 0 2328 0   
GGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG 0 4368 1   
CAGGGAGAACAGGAGGTCCTCCAGC 0 946 1   
GCCTGGCTCGCGGACCACGTAGTAG 0 3036 0   
GGCCCAGCACAGCTTCATGAGCTCG 0 3312 0   
GTCAGACGTCTGGAGCTTCGGGGTC 0 3120 1   
GACAGGGCTACAGTAGTAGTGGGGG 0 5255 0   
GTGTCTCTCCTCGAAGATCGTGGGG 0 2538 0   
CAGCGGCTGCTTGCGCGACTTCCTG 0 2817 1   
CGGCGGCCCCGGCTGGATCCAGCCG 0 829 0   
GGCCCGGCCGGAGAGCACCGCCTGG 0 1027 1   
GGGCCTGAGCTTCGTGACGCGGAGG 0 708 1   
CGGTGCCACCTCCTTGCAGAAGAAG 0 1170 0   
CCCTGAGGTCAGGGGAGACAGCTGG 0 5328 0   
GGCTCTGTCGTTCGTGGCGCTCGTG 0 1110 1   
CTCGGCCGAGTTCCTGCGGATGATG 0 3189 1   
CGCTGCCTCCCGGCTCTGCCCGCCC 0 33 1   
CGCCGGCAGCCTCTGGCCCTCCTCC 0 3261 0   
GTCGCAGTAGGTGAAGAGCTCGTAC 0 3150 0   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GCCAGTGCTATCCTTGACCTGCCAG 0 472 1   
CTCCTGGCTCGGGAGGGGGCTGATG 0 2059 1   
CAGAGTGATGGGGCCGTGGCACTGC 0 1221 0   
GACACAGACAGTGAGGAGGAAGCTG 0 1326 0   
GCCACTGTACTCCAGCCTGGGCGAC 0 4335 0   
GGCCGTGAAACAGCTGCAGCACAGC 0 2655 1   
CTCGCTCATGGCCAAGTACATCATG 0 795 1   
GGCTCGGAAGGAGGGCCTCTGGACC 0 2391 0   
GCCTGCCTACCCCCAAGCCTGCGCG 0 673 1   
CACAGCAGTCTTCGAGAGCTCCTGG 0 1438 1   
GGCTGCAAGGATGTGGTAGCTGGAG 0 5218 0   
GTGTGCCTCGCTCTCCACGAGGATG 0 2961 0   
GCCACAGCAACTGCTCTTGTCCTTG 0 4662 0   
GTCTCACACCCCCGGCTTCCGCTCC 0 3395 0   
CCCAGAGGGCAAACACCACTCCCTG 0 3438 1   
CACTGTAGCCCAGGAGTTCAAGACC 0 4181 0   
GGCTGGAGACAGCACCATGGTGCAG 0 1875 1   
GGGGCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAG 0 4738 1   
GGCACCAGCCTCCGTGGACAAGAGG 0 150 0   
GCCCCCAGTCTTGAGCTTGTTGATG 0 1254 0   
CGCTGTGTTAAGCCTGGAGATGCTC 0 2127 1   
CGCAGGGCTCTGCGCACCGTCCTCC 0 740 0   
GGGAGGCCGAGACGGGCAGATCACG 0 4533 0   
CACGCTGCCAAAGTTGCCCTTGCCC 0 2583 0   
CCCACACCTGGTGCCCTGGCACCTC 0 2470 1   
GGCAGAGACATTGCCATGGGGCAGG 0 2025 0   
GGGTCCCTGCCCGCTAGGCAAGTTG 0 70 1   
CTGAGGCCTCAGCCCAGCCCCCAAG 0 5356 0   
GAGGCCCAGAGAGGGGCAGCTCCGG 0 3532 0   
CTCCCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGG 0 2688 0   
GGCCACGGAGGACCTGTCCTGCTGG 0 318 1   
GGCTGAACCAAGGATGATGTGGGTG 0 1580 0   
GAATGACTCCATGCAGTTCTTGTGC 0 1782 0   
CACCATGATGGCCAGGCTGATCTCG 0 4012 1   
GGCGGAGAACATAGGAGCCAGGACG 0 1282 0   
CGCTCTGTTACCCAGGGTGGAGTGC 0 3845 1   
CCCAGAGAGGGAAAGGAACTTGCCC 0 5019 0   
CGGGCAGCCCTGGGAACTCGGCCTC 0 1084 0   
CAGGGCACTGATGGGCATGGTGACG 0 2262 0   
GCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCG 0 3916 1   
CACGCACAGGTCCTCAGCCAAGTGG 0 240 0   
GTCCTCCAGATAGTTGAGGGCGTAG 0 1995 0   
\* \* \* \*  \*  \*  \*  \*  \*  \*   
MAP Score: 190.984   
  
Motif 2   
GCAGGCCCCGCGCGTTG 0 1011 1   
GCGGGCAGAGCCGGGAG 0 39 0   
GCAGGCTCTGGCGGCCC 0 2778 0   
GCAGGCCCAGCGGCCGG 0 627 1   
GGAGGCGGAGCTTGCAG 0 4374 0   
CCTGGCTCGGGAGGGGG 0 2061 1   
GGGGGCCCAGGGCGCTG 0 3363 0   
GGCGGCAGAGGGCGGGG 0 3231 0   
GGAGGCTGAGGCAGGAG 0 3922 0   
GGAGGCTGAGGTGGGAG 0 4058 0   
CGTGGCACTGCTCGGCC 0 1215 0   
GCGGCCCCGGCTGGATC 0 835 0   
GCAGCCCCAGCCCGTCG 0 894 0   
CCGGGCCCCCCCAGCGC 0 203 1   
GCTGCCGGCGCCTCCTG 0 3276 1   
CCCGCCGCTGCGTGCAC 0 2924 1   
GCCGGGTGTGGTGGTGC 0 3962 0   
GCGGGCGCCTGTAGTCC 0 4433 0   
GGAGGCCCACGTGGAAG 0 858 0   
GGTGCCGCTGCAGGAAG 0 2835 0   
GCTGGCCCTGCTGATTC 0 2352 1   
GCCGGCAGCTGCTGCCG 0 2320 0   
CCAGGCTGATCTCGAAC 0 4023 1   
CCAGGCTGGTCTTGAAC 0 4174 1   
CCTGGCACCTCGTGATG 0 2484 1   
CCTGGCTCGCGGACCAC 0 3043 0   
CCAGCCACAGCAACTGC 0 4673 0   
CCTGGCAGGCGGCCACG 0 768 0   
GGGGGCTCACGTCCTGG 0 1273 1   
GCTGGGAGTCCGTGGTC 0 1152 0   
CGTGGCGCTCGTGGACG 0 1122 1   
GCTGGCACCAGGTGGCC 0 1945 0   
GGTGGCACTTCTCCAGC 0 432 0   
GGTGGCACCGCCGAGGC 0 1185 1   
GCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGGGGCTGGGCTGAGGC 0 5359 1   
CCTGCCAGTCCTGGAGC 0 489 1   
GGCGCCTCCCCGTGGGC 0 542 1   
GCTGCCCGCTCGGGGCC 0 186 1   
GCAGCCCCTCGGCCGAG 0 3182 1   
GCGGGCAGGGACCCTGG 0 67 0   
GGAGGCTGGTGCCCTGC 0 162 1   
CCTGGCAGAGGGAACAG 0 4912 1   
CCTGGCCCGGATGGCGC 0 606 1   
GGAGGCTGAGGCGAGAG 0 4406 0   
CCTGGATCAGGTCGCGC 0 693 0   
GGAGCCCGCCCTTCATC 0 2084 1   
CGTGGCTGGTGACGGCG 0 915 1   
CCCTGCTGAGGTTCACG 0 3297 1   
CCAGCGGCTGCTTGCGC 0 2816 1   
CCTGGGTGGCCCCCGAG 0 2165 1   
GGTGGATGGGGAGGCCC 0 1728 1   
GGGTGCAGTGGCTCATG 0 4095 0   
GCAGGATGCCGCTGGCC 0 276 0   
CCCGGCCGGAGAGCACC 0 1029 1   
GCCCGCTGTGCTGCAGC 0 2667 0   
CCATGCACACGCCGTGG 0 1860 0   
AGCGGCACAGCTCCACG 0 2604 0   
GCTGGGACTACAGCACC 0 4232 1   
CCATGCAGTTCTTGTGC 0 1782 0   
GGGGCCAGGGCTTAAGG 0 3759 0   
CCTGGGGGCTGCGGCGG 0 1302 0   
GCCGGGCGCAGTGGCTC 0 4580 0   
CGTGGCGCCGAAGCCCC 0 2225 0   
GGCGGCTGGCATCGAGG 0 2859 0   
CGGGGCTGACCCCAGGG 0 2112 0   
TCTGGCCCTGGGGCTGG 0 5297 1   
GCTGGAAGCTGCAGGTG 0 1964 1   
CCAGGGAGAACAGGAGG 0 945 1   
CCATGCCCTTGCAGATC 0 2895 0   
CGCTCCACAGCATGTCC 0 3384 0   
CGAGCCACATCTTCTCC 0 350 1   
ACGGGCAGATCACGAGG 0 4530 0   
ACCGGCACTCGCTCATG 0 788 1   
CCCTGCACAGCCAAGGG 0 5081 0   
GGATGGGGGGCTGCACG 0 1473 1   
CCTCGCTCTCCACGAGG 0 2964 0   
TCTGGCCCTCCTCCAGC 0 3258 0   
GGTTCCTGTGGGGCTGC 0 1394 0   
GCCTCCGCGTCACGAAG 0 717 0   
GGAGCCCCCCCAAATGC 0 3604 0   
GGGTGGACTGGGACCCC 0 4753 0   
CCGGGAGGCGCAGACAC 0 2187 1   
GGAGGAGCAGCAGAAGC 0 5139 0   
AGGGGCAGCTCCGGGCC 0 3529 0   
GGATCCTGTCGGTGAGC 0 2148 0   
AGAGCCTCGGGCAGCCC 0 1099 0   
CGGTGCTGGGCAAAGAG 0 508 0   
CGGTCCAGAGGCCCTCC 0 2390 1   
GCAGCGAGAGGAAAGTC 0 22 0   
GGATGATGTGGGTGGGC 0 1577 0   
GCCTGCACGCACAGGTC 0 253 0   
GCTGCCGCTTGACAAAG 0 3018 1   
GGGGGAACCAGCAGGAC 0 333 0   
GGTTGCACTGAGCCGAG 0 3881 0   
TCAGCCTGGCCGTGTTG 0 587 1   
ACGGGCTCCCCTAAAAG 0 4698 0   
CCGGCATCTCGTGCTGC 0 1842 1   
AGGTGCCCTGGTGGCCG 0 2643 1   
CCTGCCCCATGGCAATG 0 2025 1   
ACAGGACGACCCCGAAG 0 3135 0   
GGCTGGTCATGGAGTAC 0 2795 1   
TGGGGCCCTTGGTGGCC 0 876 1   
CCAGGCTGTCAGCAGGG 0 1647 0   
CGGTGCGCAGAGCCCTG 0 746 1   
CCTGCACCATGGTGCTG 0 1884 0   
\*\* \*\*\* \* \*\*  \*  \*   
MAP Score: 187.7   
  
Motif 3   
GGCCCCGGGCCCCCCCAGC 0 199 1   
GGGCCAGGTCCAACACGGC 0 595 0   
GGTCCAGGCGATGCCGCCG 0 927 0   
GCTCCAGGACTGGCAGGTC 0 487 0   
GGCCCTGGGGCTGGGGAAG 0 5300 1   
GGGCCAGGACTCAGAGAGC 0 3695 0   
GGGGCTGGGCTGAGGCCTC 0 5360 1   
GGGGCAGGCCTTTGTCCTC 0 2014 0   
GCCGCTGGGCCTGCTCTCG 0 622 0   
GGACCGGCAGCAGCTGCCG 0 2316 1   
GGCCCCGCGCGTTGGCCCG 0 1014 1   
GCGCCGGCAGCCTCTGGCC 0 3268 0   
GCTCCTGCCCGCAGACCTC 0 3474 1   
GCTGCTGGAGGAAGTGGCC 0 1200 1   
GGCGCAGGGCTCTGCGCAC 0 748 0   
GCGGCTGGTCATGGAGTAC 0 2793 1   
GCTGCAGCTGTTTCACGGC 0 2656 0   
GCCCCAGCCCGTCGTGGCC 0 889 0   
GCAGCGGCGGGAGCCCAGG 0 2916 0   
GGTGCTGCTGAAGGTCATG 0 1755 1   
GCCGCTGCAGGAAGTCGCG 0 2830 0   
GCAGCAGCACATGCAGGGC 0 172 0   
GACCCTGGGGTCAGCCCCG 0 2110 1   
GAACCTGGGCCATGGGTCC 0 1674 1   
GAGGCAGGAGAATCGCTTG 0 3913 0   
GGGCCGGGCGCAGTGGCTC 0 4580 0   
GATCCAGCCGCTCCAGGTC 0 820 0   
CCTCCCGGAGACACTCGGG 0 2176 0   
GGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
CCACCTGGTGCCAGCCAGC 0 1947 1   
GCTCGGGGGGAACCAGCAG 0 336 0   
CCCCCAGGACTTTGACAGC 0 1311 1   
CGCCCTGGGCCCCCAGCTG 0 3366 1   
CGGCCAGGTCGCGGTGCAC 0 2935 0   
GGCCCAGCACAGCTTCATG 0 3318 0   
GGGCGGGCAGAGCCGGGAG 0 39 0   
GCTGGAGGACCTCCTGTTC 0 952 0   
GCGGCAGCAGCTTAGCTAG 0 3007 0   
GCAGGTGGTCAAACAGCTG 0 1974 1   
GGATCAGGGGCGTCTCTTC 0 115 0   
GCTCCAGACGTCTGACTGG 0 3117 0   
GCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGTCCGCGAGCCAGGCCAG 0 3045 1   
GGAGGCGCCCACTCACCAG 0 532 0   
GGAGCAGCACGAGATGCCG 0 1843 0   
GGGGCTGCAGCTTTTGTCG 0 3171 0   
GGCTCTGGCGGCCCGGGCC 0 2773 0   
GGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
GGGCCTGAGCTTCGTGACG 0 708 1   
GAGCCAGGACGTGAGCCCC 0 1274 0   
GGGGCTGATGGGAGCCCGC 0 2074 1   
GGGTCTGGGGATACAGCAG 0 1518 0   
GCACCAGGTGTGGGGTCTG 0 2465 0   
GCTCCGGGCCTAAGGTCAC 0 3520 0   
GGGCCTCCCCATCCACCAC 0 1726 0   
GCTGCTGAAGACTGTCAGC 0 648 1   
GGCGCTCGTGGACGGCTAC 0 1125 1   
GGCCCTGCTGATTCAACAG 0 2355 1   
GCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5139 1   
GGAGCGGAAGCCGGGGGTG 0 3395 1   
GCTGCCCGAGGCTCTGTCG 0 1101 1   
TGACCAGGCGGTGCTCTCC 0 1036 0   
CACCCAGGGGATCCTGTCG 0 2154 0   
GCCGCTGGCCTTGGCAGCC 0 267 0   
GAAGGAGGCGGCTGGCATC 0 2863 0   
GGGGCCGCCGAGACCTTCC 0 844 1   
GGCCCCAGGGAGGCCCACG 0 864 0   
GGTGCTCCTGGCTCGGGAG 0 2055 1   
GGGGCTGCACGTAGATGGG 0 1479 1   
TGTCCAGCTGTCTCCCCTG 0 5325 1   
GATGGGGCCGTGGCACTGC 0 1221 0   
AGACCGGCACTCGCTCATG 0 786 1   
TGCCCAGCTCTATGCCTGC 0 2514 1   
GGTCCAGAGGCCCTCCTTC 0 2391 1   
TCAGCGGGAGATTCAGATC 0 2703 1   
ACAGCTGGGCAAGGGCAAC 0 2577 1   
GGTCGCGCAGGCTTGGGGG 0 682 0   
GATCCAGGGCACTGATGGG 0 2272 0   
TCAGCAGGGCAGGCAGGAG 0 3287 0   
CCTGGGGGCCATAGACATG 0 1911 1   
GGGTGTGGTGGTGCACACC 0 3957 0   
GGGTGTGGTGGCGGGCGCC 0 4441 0   
GACCCTGCACAGCCAAGGG 0 5081 0   
GGCTGGGGTCCCAGTCCAC 0 4749 1   
GCTGGAGAAGTGCCACCGC 0 432 1   
GGCTGAGGCCAACCAGAAG 0 1414 0   
CCGGCTGACCACGGACTCC 0 1146 1   
GGTCGTCCTGTACGAGCTC 0 3141 1   
GGAGGCGGAGCTTGCAGTG 0 4372 0   
\*\* \*\* \*\* \*   \* \*  \*   
MAP Score: 186.374   
  
Motif 4   
GTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCGTG 0 748 1   
GCACACGCCGTGGAGCAGCACGAG 0 1849 0   
GAGGACAAAGGCCTGCCCCATGGC 0 2014 1   
CCACTTGGGGGCCGGCAGCTGCTG 0 2323 0   
GACGGGCTGGGGCTGCTCCGCGTG 0 895 1   
GGCCCGGCCGGAGAGCACCGCCTG 0 1027 1   
CTGGGCAAAGAGGTGCTCCAGGAC 0 496 0   
CCACAGCATGTCCAGCTGGGGGCC 0 3373 0   
CGCCTCTTGGAACTGCTGGAGGAG 0 3244 1   
GAGGCGCGCGCGGTGCCGCTGCAG 0 2839 0   
GGCCAGGTCGCGGTGCACGCAGCG 0 2929 0   
GTACCTGCCCAGCGGCTGCTTGCG 0 2808 1   
GCTCATGAAGCTGTGCTGGGCCCC 0 3315 1   
GAAGGGCGGGCAGAGCCGGGAGGC 0 37 0   
CGACAAAAGCTGCAGCCCCTCGGC 0 3171 1   
GAGCCAGGACGTGAGCCCCCAGTC 0 1269 0   
CAGCTTGATGAAGGGCGGGCTCCC 0 2083 0   
CTTGCAGAAGAAGTGCTGGGAGTC 0 1159 0   
CAGCTATGGCCCGGGCCGCCAGAG 0 2766 1   
GGAGGACCTGTCCTGCTGGTTCCC 0 324 1   
GGCCACTTCCTCCAGCAGCCTCGG 0 1195 0   
CTAGCTAAGCTGCTGCCGCTTGAC 0 3007 1   
GCCGAGTTCCCAGGGCTGCCCGAG 0 1087 1   
CTGCCTCATCCGGCGCAGCCCCAC 0 1380 1   
GCTCGGGGCCCCGGGCCCCCCCAG 0 193 1   
GAGCAGGCCCAGCGGCCGGGAGAG 0 625 1   
CTACTTCAGGAACACCCCCATGAC 0 3577 1   
CTCCCGAGCCAGGAGCACCTTCCG 0 2050 0   
GATCCCCTGGGTGGCCCCCGAGTG 0 2160 1   
CACGAGGTGCCAGGGCACCAGGTG 0 2474 0   
CAGGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTC 0 5131 1   
GGTGCCCTGCATGTGCTGCTGCCC 0 169 1   
CGCCATCCGGGCCAGGTCCAACAC 0 598 0   
GCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTC 0 4741 1   
GGCCACCAAGGGCCCCAGGGAGGC 0 869 0   
CTGGTGAGTGGGCGCCTCCCCGTG 0 532 1   
CATCTACGTGCAGCCCCCCATCCC 0 1472 0   
GGAGAACAGGAGGTCCTCCAGCCC 0 949 1   
GCCGGTCCAGAGGCCCTCCTTCCG 0 2388 1   
GCTGTCAAAGTCCTGGGGGCTGCG 0 1306 0   
CAGGAATTTGTACACCTGGGGGCC 0 1897 1   
CCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGGTC 0 2686 0   
CAGCTGTTTCACGGCCACCAGGGC 0 2647 0   
CTGCGAAAACGTGGCCACCTGGTG 0 1933 1   
GAAGAGCTCGTACAGGACGACCCC 0 3139 0   
CTGGATCCAGCCGGGGCCGCCGAG 0 832 1   
GTTCTCATGCCACTCCAGGCTGTC 0 1654 0   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGG 0 4173 0   
CAGGCCCTGGATCAGGTCGCGCAG 0 691 0   
CCGGAAGTAGCCGTCCACGAGCGC 0 1126 0   
CCCAGAGAGGGGCAGCTCCGGGCC 0 3529 0   
GAAGCGGTGGCACTTCTCCAGCCC 0 430 0   
GGGATTACAGGTGTGCACCACCAC 0 3948 1   
CAAGCACAAGAACTGCATGGAGTC 0 1779 1   
GCCGGGTGTGGTGGCGGGCGCCTG 0 4439 0   
GGCAGGCAGGAGGCGCCGGCAGCC 0 3275 0   
CAGGGCACTGATGGGCATGGTGAC 0 2263 0   
CATGAGCCACTGCGCCCGGCCCTC 0 4577 1   
GTGGGGCTTCGGCGCCACGGTCTG 0 2223 1   
GGTCTGGGGATACAGCAGGAAGTG 0 1512 0   
GATGGCCAGGCTGATCTCGAACTC 0 4018 1   
GTCCATGATGTACTTGGCCATGAG 0 799 0   
GACGTGTGCCTCGCTCTCCACGAG 0 2965 0   
CAGACACTTCCCCAGCCCCAGGGC 0 5301 0   
GGGCATGGAGTACCTGGGCTCCCG 0 2904 1   
GCACTGTTGAATCAGCAGGGCCAG 0 2353 0   
GGCCTTGGCAGCCTGCACGCACAG 0 256 0   
GCCCCCTCTGTACTGAGGCCTCAG 0 5369 0   
CGCACCACTGCACTCCACCCTGGG 0 3855 0   
CATCCCTTTGTGCCCCTTGTAGGG 0 4837 0   
GTCCTCCGAATACGCCTCCGCGTC 0 723 0   
CCTCCAAGTGAAGAGACGCCCCTG 0 106 1   
CGCCATGAGGTGGTGGATGGGGAG 0 1717 1   
GGGGTCTGAGAGGAGCTCATAGTC 0 2449 0   
GTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAG 0 3910 1   
GTGCAACTTGCCTAGCGGGCAGGG 0 74 0   
GCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG 0 4369 1   
GCCCGAAAGACAGAGGTGCTGCTG 0 1741 1   
CTCCACGGAGAAGATGTGGCTCGG 0 349 0   
CTGGGTCCAGGCGATGCCGCCGTC 0 925 0   
GCTGCCAAAGTTGCCCTTGCCCAG 0 2581 0   
GCTAAGTGTCTGCGCCTCCCGGAG 0 2185 0   
GGGGCTCTGGCCTGGCTCGCGGAC 0 3046 0   
CCCCTTAAGCCCTGGCCCCCTGAG 0 3757 1   
GTCCAGAGAGGTCACAGCCCACCC 0 1561 1   
GAACCCTGAGGTCAGGGGAGACAG 0 5332 0   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCC 0 1414 1   
GGTGTTTGCCCTCTGGGTGAGCAG 0 3431 0   
GAGCAGTTGCTGTGGCTGGGACTC 0 4671 1   
GAGACACTCACCCTGCTCCTTGAG 0 565 0   
CCGAGACGGGCAGATCACGAGGTC 0 4528 0   
GCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
GTGATCCTCCCACCTCAGCCTCCC 0 4052 1   
CATGCCAAGCGTGAGAAGGCTCAG 0 4929 1   
GCCAGCTGGAAGCTGCAGGTGGTC 0 1960 1   
GAAGGAAAGGCATTCCTGGCAGAG 0 4898 1   
CGAGTGCCGGTCTGCCTGGCAGGC 0 775 0   
GTGGACAAGAGGCTGCATGAACGC 0 138 0   
CCTGGAAGCAGCGAGCTTGATGAG 0 1806 1   
CAGAGTGATGGGGCCGTGGCACTG 0 1222 0   
CTTGGTGAAGGACCCATGGCCCAG 0 1678 0   
\*  \*     \*  \* \*\* \*\*  \* \*   
MAP Score: 181.441   
  
Motif 5   
GCGGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCC 0 889 0   
CTGCAGCTGTTTCACGGCCACCAGGGC 0 2647 0   
GAGGTGCTGCTGAAGGTCATGGATGCC 0 1753 1   
CCGGTCCAGAGGCCCTCCTTCCGAGCC 0 2389 1   
GAGTACCTGGGCTCCCGCCGCTGCGTG 0 2911 1   
GTGATGGGGCCGTGGCACTGCTCGGCC 0 1215 0   
GGGATCCTGAAAGGGGGCAGGAAAGGC 0 4725 1   
GACCAGGCGGTGCTCTCCGGCCGGGCC 0 1027 0   
GGGCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGG 0 430 1   
GAGCTCGTGAACCTCAGCAGGGCAGGC 0 3292 0   
GAGCTCCTGGCAACCTGCTGGGATGGG 0 1453 1   
CTGGTGCCCTGGCACCTCGTGATGGGC 0 2477 1   
GCGTGGCCGCCTGCCAGGCAGACCGGC 0 767 1   
GCCATCCGGGCCAGGTCCAACACGGCC 0 594 0   
CAGCGGCACCGCGCGCGCCTCGATGCC 0 2842 1   
GGGGCCGCCGAGACCTTCCACGTGGGC 0 844 1   
GACTCCCAGCACTTCTTCTGCAAGGAG 0 1159 1   
CTGTACGAGCTCTTCACCTACTGCGAC 0 3148 1   
GCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
CGGCAGCAGCTTAGCTAGGCCGAAGTC 0 2998 0   
GTGGAGCGGAAGCCGGGGGTGTGAGAC 0 3393 1   
GGCAGCGTGGAGCTGTGCCGCTATGAC 0 2599 1   
CAGCCGCAGGCTCTGGCGGCCCGGGCC 0 2773 0   
GGCCTCCCCATCCACCACCTCATGGCG 0 1717 0   
GGCCAGGACTCAGAGAGCCCCACTGAC 0 3686 0   
CAGGAGGTCCTCCAGCCCTTCTGCGAC 0 955 1   
GTGAGCGGGATGTCCCCGCCCTCTGCC 0 3218 1   
GGGAACCAGCAGGACAGGTCCTCCGTG 0 321 0   
GACCTGGTGAGTGGGCGCCTCCCCGTG 0 529 1   
CCGAGCGGGCAGCAGCACATGCAGGGC 0 172 0   
GTCCAGCTGTCTCCCCTGACCTCAGGG 0 5326 1   
CAGCCCCGGTAAATCTTGGTGAAGGAC 0 1689 0   
GTCGCGCAGGCTTGGGGGTAGGCAGGC 0 673 0   
GAGTACCTGCCCAGCGGCTGCTTGCGC 0 2806 1   
CAGCTGCCGGCCCCCAAGTGGACAGAG 0 2326 1   
GCCAAGGCCAGCGGCATCCTGCCTGTG 0 271 1   
CTGTCGCCCAGGCTGGAGTACAGTGGC 0 4333 1   
GTGCTGGGCAAAGAGGTGCTCCAGGAC 0 496 0   
CTGGCCGCCCGAAACATCCTCGTGGAG 0 2947 1   
GCGGAGGCGTATTCGGAGGACGGTGCG 0 726 1   
CTGGAGGACAAAGGCCTGCCCCATGGC 0 2011 1   
CTCACCGACAGGATCCCCTGGGTGGCC 0 2149 1   
GTGGCGCTCGTGGACGGCTACTTCCGG 0 1123 1   
CTCCGCCGCAGCCCCCAGGACTTTGAC 0 1300 1   
CAGGTGGTCAAACAGCTGGCCTACGCC 0 1975 1   
GGCTTCGGCGCCACGGTCTGGGAAGTG 0 2227 1   
CACAGCGGGCCAGACCAGCAGAGGGAC 0 2674 1   
CTGGAGGAGGGCCAGAGGCTGCCGGCG 0 3259 1   
GTGGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
CACTTCCCCAGCCCCAGGGCCAGAGTG 0 5294 0   
CAGAGCCTCGGGCAGCCCTGGGAACTC 0 1090 0   
CACTGCCACCCCATCTACGTGCAGCCC 0 1480 0   
CACCTGGTGCCAGCCAGCTGGAAGCTG 0 1948 1   
CGGTACGACACTTGGCTCATCAAGCTC 0 1818 0   
CTCATGGCCAAGTACATCATGGACCTG 0 799 1   
CTGAGGCCCAGAGAGGGGCAGCTCCGG 0 3532 0   
CAGCAGCTCTCCCGGCCGCTGGGCCTG 0 628 0   
CCCCTCCCGAGCCAGGAGCACCTTCCG 0 2050 0   
GACCGGCCATCATTCAGCGCCCTGGGC 0 3349 1   
GAGAGGGAAAGGAACTTGCCCACTGTC 0 5013 0   
GGGAAGCAGAGGTTGCACTGAGCCGAG 0 3881 0   
GAGCCGGGAGGCAGCGAGAGGAAAGTC 0 22 0   
GCCTGGCTCGCGGACCACGTAGTAGTC 0 3034 0   
CTGCACGCACAGGTCCTCAGCCAAGTG 0 241 0   
GCCAAGGACAAGAGCAGTTGCTGTGGC 0 4660 1   
CTGCTGCTCCTCCTCACCTGCAAAGCT 0 5143 1   
GTCAGCCCCGCTGTGTTAAGCCTGGAG 0 2119 1   
CAGAGCCTCGCTCTGTTACCCAGGGTG 0 3837 1   
CCCAGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCC 0 4368 0   
GCCTGCCAAGACCCCACGATCTTCGAG 0 2527 1   
CAGGTGGGAAAACTGAAGCCCTAGGAC 0 4785 0   
GGCCCCCAGGTGTACAAATTCCTGCAC 0 1894 0   
GACTGGCGAGAGAAGATGTTGTCCGAG 0 3096 0   
GTGCTGCTCCACGGCGTGTGCATGGCT 0 1852 1   
CCGAGCCACATCTTCTCCGTGGAGGAT 0 349 1   
GGGCGCCTGTAGTCCCAGCTACTTGGG 0 4421 0   
GTCTGGGGATACAGCAGGAAGTGAGGG 0 1508 0   
GGCCCCCTGAGTTTCCTTTTCTGTCTC 0 3770 1   
CCCATCATCCGCAGGAACTCGGCCGAG 0 3189 0   
GTCCAGGCGATGCCGCCGTCACCAGCC 0 918 0   
GGGCTGGAGGGAAGGACAGGGCTACAG 0 5267 0   
CAGCGGGAGATTCAGATCCTCAAAGCA 0 2704 1   
GGCCACAGGCTATTCTACAGGCCACGG 0 3620 0   
GGCCGGGCGCAGTGGCTCATGCCTGTA 0 4571 0   
GCCAGGCTGATCTCGAACTCCTAACCT 0 4022 1   
\* \*  \*\* \*     \*  \*  \*   \* \*   
MAP Score: 179   
  
Motif 6   
CTGCGGCTGGTCATGGAGTACCTGCCC 0 2791 1   
GCGCTGGGGGGGCCCGGGGCCCCGAGC 0 193 0   
CCCCAGCCCGTCGTGGCCACCAAGGGC 0 880 0   
GACAAGTGGGGCTTCGGCGCCACGGTC 0 2218 1   
GAGAAGGAGGCGGCTGGCATCGAGGCG 0 2857 0   
CTGGTGAGTGGGCGCCTCCCCGTGGGC 0 532 1   
GTGCTCTCCGGCCGGGCCAACGCGCGG 0 1018 0   
GAGCAGGGTGAGTGTCTCAGCCTGGCC 0 571 1   
GTGGAGAGCGAGGCACACGTCAAGATC 0 2968 1   
CTCTGGCCTGGCTCGCGGACCACGTAG 0 3039 0   
CGGTCCTGTGGGCTAGGGGCCCAGCAC 0 3327 0   
CTGGTGGCCGTGAAACAGCTGCAGCAC 0 2650 1   
CTGCTGGAGGAGGGCCAGAGGCTGCCG 0 3256 1   
CCGGGCAGAGACATTGCCATGGGGCAG 0 2026 0   
GTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCGTGGCC 0 748 1   
GTCAGCTATGGCCCGGGCCGCCAGAGC 0 2764 1   
CACTTGGCTGAGGACCTGTGCGTGCAG 0 241 1   
GAGCGGGATGTCCCCGCCCTCTGCCGC 0 3220 1   
GAGTCCGTGGTCAGCCGGAAGTAGCCG 0 1137 0   
GGCAACTTTGGCAGCGTGGAGCTGTGC 0 2590 1   
GCGGTGCTGGGCAAAGAGGTGCTCCAG 0 499 0   
CTGACCCCAGGGTCACTCAGCTTGATG 0 2097 0   
CCCTCGGCCGAGTTCCTGCGGATGATG 0 3187 1   
GGGCTGGAGGACCTCCTGTTCTCCCTG 0 946 0   
GTCATGGGGGTGTTCCTGAAGTAGAGG 0 3574 0   
GAGAGGAAAGTCCCACTCGGCTCCTTC 0 7 0   
CTGCAGGTGGTCAAACAGCTGGCCTAC 0 1972 1   
CTGGAGGAAGTGGCCGAGCAGTGCCAC 0 1204 1   
GAGAACCTGGGCCATGGGTCCTTCACC 0 1672 1   
GGCCACCTGGTGCCAGCCAGCTGGAAG 0 1945 1   
CCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGGTCTGG 0 2683 0   
GTGGCCCCCGAGTGTCTCCGGGAGGCG 0 2170 1   
GTCTTGGCAGGCATAGAGCTGGGCACC 0 2512 0   
CGCCGCTGCGTGCACCGCGACCTGGCC 0 2926 1   
GTGACCTTAGGCCCGGAGCTGCCCCTC 0 3520 1   
GCCACGAACGACAGAGCCTCGGGCAGC 0 1101 0   
CAGTGCATGGCCTATGAGCCGGTCCAG 0 2371 1   
CAGACCCCACACCTGGTGCCCTGGCAC 0 2465 1   
CGGCAGCAGCTGCCGGCCCCCAAGTGG 0 2320 1   
CTCCTGCCTGCCCTGCTGAGGTTCACG 0 3287 1   
CACGCCGTGGAGCAGCACGAGATGCCG 0 1843 0   
GCCTAGATTGCGCCACTGTACTCCAGC 0 4344 0   
CTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTG 0 3907 0   
GTCATGGATGCCAAGCACAAGAACTGC 0 1768 1   
CTGCTCTCGCGCCATCCGGGCCAGGTC 0 604 0   
GCCCTGGGCCCCCAGCTGGACATGCTG 0 3367 1   
CTGGCCACGGAGGACCTGTCCTGCTGG 0 316 1   
CTCCTCACTGTCTGTGTCCAGAACCCC 0 1333 1   
CTGCGCGACCTGATCCAGGGCCTGAGC 0 691 1   
GCCCAGCGGCCGGGAGAGCTGCTGAAG 0 631 1   
CAGGGGATCCTGTCGGTGAGCATCTCC 0 2142 0   
GGGCAGCAGCACATGCAGGGCACCAGC 0 166 0   
CCCATCAGCCCCCTCCCGAGCCAGGAG 0 2059 0   
CCCTCCAGCCCCACTCTGGCCCTGGGG 0 5283 1   
CTCTCGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTG 0 4406 1   
CGGCACTCGCTCATGGCCAAGTACATC 0 790 1   
GGGGTCGTCCTGTACGAGCTCTTCACC 0 3139 1   
ACCATGATGGCCAGGCTGATCTCGAAC 0 4013 1   
CGCGACTTCCTGCAGCGGCACCGCGCG 0 2830 1   
ATCTGCAAGGGCATGGAGTACCTGGGC 0 2896 1   
CAGATACATGTCTATGGCCCCCAGGTG 0 1909 0   
CTTTCGAAGGGCGGGCAGAGCCGGGAG 0 39 0   
CTGGTGAGAGGGATTCTCATGCAGGTT 0 5110 1   
CAGGGAGTGGTGTTTGCCCTCTGGGTG 0 3436 0   
CTGGAGGAAGCCAAGGACAAGAGCAGT 0 4651 1   
ATCTTCGAGGAGAGACACCTCAAGTAC 0 2545 1   
CTCCACCCTGGGTAACAGAGCGAGGCT 0 3840 0   
GGTGGCAGTGACCCTCACTTCCTGCTG 0 1497 1   
CTGGATCCAGCCGGGGCCGCCGAGACC 0 832 1   
CCCACAGCAGTCTTCGAGAGCTCCTGG 0 1436 1   
CGGGGCTGTCGCCATGAGGTGGTGGAT 0 1708 1   
GAGCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTAG 0 4580 1   
GCTACGTTGCCCAGGCTGGTCTTGAAC 0 4164 1   
GGGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCC 0 4433 0   
GTGGCTGGTGACGGCGGCATCGCCTGG 0 916 1   
CCTGTGGGGCTGCGCCGGATGAGGCAG 0 1380 0   
CTGCATGAACGCTGAGGGATCAGGGGC 0 123 0   
GATCCCAAAGAGATACACGGGCTCCCC 0 4704 0   
GGCATTCCTGGCAGAGGGAACAGCATG 0 4906 1   
GGTCCCTGCCCGCTAGGCAAGTTGCAC 0 71 1   
AGCCCGAAGCGGTGGCACTTCTCCAGC 0 432 0   
CATGAGTCTCACACCCCCGGCTTCCGC 0 3398 0   
CATAGGAGCCAGGACGTGAGCCCCCAG 0 1271 0   
CCCGAATCCCTCTCGGACAACATCTTC 0 3085 1   
AGCGGCATCCTGCCTGTGTACCACTCC 0 280 1   
\* \*  \*   \* \*   \* \*  \*  \*  \*   
MAP Score: 174.352   
  
Motif 7   
GGCGCTGGGGGGGCCCGGGGCCCCG 0 196 0   
GAGGCTGCTGGAGGAAGTGGCCGAG 0 1197 1   
GGCGATGCCGCCGTCACCAGCCACG 0 915 0   
GCCCAGGGCGCTGAATGATGGCCGG 0 3351 0   
GTGCACGCAGCGGCGGGAGCCCAGG 0 2916 0   
GCTGCTGAAGGTCATGGATGCCAAG 0 1758 1   
GCACGAGATGCCGGTACGACACTTG 0 1831 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
CGCGGTGCCGCTGCAGGAAGTCGCG 0 2830 0   
CCGGCAGCAGCTGCCGGCCCCCAAG 0 2319 1   
CCTGGAGCGGCTGGATCCAGCCGGG 0 822 1   
CACCATGGTGCTGTCTCCAGCCATG 0 1872 0   
CATGGGGCAGGCCTTTGTCCTCCAG 0 2011 0   
CTCCCGGCCGCTGGGCCTGCTCTCG 0 622 0   
GAGGCTGCCGGCGCCTCCTGCCTGC 0 3273 1   
CTGGCAGGCGGCCACGCGGCGCAGG 0 759 0   
CTCCCTGGGGCCCTTGGTGGCCACG 0 871 1   
GATGCCGCTGGCCTTGGCAGCCTGC 0 264 0   
GATCTTCGAGGAGAGACACCTCAAG 0 2544 1   
CGGGAGGGGGCTGATGGGAGCCCGC 0 2068 1   
CTTGTCCACGGAGGCTGGTGCCCTG 0 153 1   
GGCCGTGTTGGACCTGGCCCGGATG 0 594 1   
GGTGCTCCAGGACTGGCAGGTCAAG 0 484 0   
GTTCGTGGCGCTCGTGGACGGCTAC 0 1119 1   
GAAGTGCTGGGAGTCCGTGGTCAGC 0 1149 0   
CCAGCAGAGGGACTTTCAGCGGGAG 0 2688 1   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCCC 0 1414 1   
GCTGGTCATGGAGTACCTGCCCAGC 0 2796 1   
CCAGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGC 0 4369 0   
CCTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGC 0 1087 0   
GCAGAGGTTGCACTGAGCCGAGATC 0 3878 0   
GCTGCAGGTGGTCAAACAGCTGGCC 0 1971 1   
GGCGGCCCGGGCCATAGCTGACACC 0 2761 0   
GGAGGAGCAGCAGAAGCTTAACCTG 0 5131 0   
CCAGGCGGTGCTCTCCGGCCGGGCC 0 1027 0   
CCTCCTCCAGCAGTTCCAAGAGGCG 0 3244 0   
CAGGAACTCGGCCGAGGGGCTGCAG 0 3180 0   
GAAGATGTGGCTCGGGGGGAACCAG 0 339 0   
CGGGGAGGCGCCCACTCACCAGGTC 0 529 0   
CAGCCCCAGGGCCAGAGTGGGGCTG 0 5288 0   
CCGGGAGGCGCAGACACTTAGCTTG 0 2187 1   
GCTGGCCCTGCTGATTCAACAGTGC 0 2352 1   
CGTGGAGAGCGAGGCACACGTCAAG 0 2967 1   
GATGAGGTTTCACCATGATGGCCAG 0 4002 1   
GACGGAGTCTCGCTCTGTCGCCCAG 0 4319 1   
CCACTCCAGGCTGTCAGCAGGGATC 0 1644 0   
CTACAGGCGCCCGCCACCACACCCG 0 4436 1   
GCTGAGGGATCAGGGGCGTCTCTTC 0 115 0   
GAGGCCGAGACGGGCAGATCACGAG 0 4531 0   
GATCGTGGTCCAGAGAGGTCACAGC 0 1554 1   
CTACGTGGTCCGCGAGCCAGGCCAG 0 3039 1   
CCTGGTGGCCGTGAAACAGCTGCAG 0 2649 1   
CCGGGGGTGTGAGACTCATGCCTTC 0 3405 1   
CAGGACGACCCCGAAGCTCCAGACG 0 3126 0   
GAGCTCCTCTCAGACCCCACACCTG 0 2455 1   
GTCCCAGCCACAGCAACTGCTCTTG 0 4668 0   
GCTGAGGTGGGAGGATCACTTGAGG 0 4046 0   
CCTCGTGATGGGCTGTGGAATGGTG 0 2491 1   
CCTGCGCGACCTGATCCAGGGCCTG 0 690 1   
GAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTG 0 3913 0   
CTGGCAGAGGGAACAGCATGCCAAG 0 4913 1   
CAAGCTGAGTGACCCTGGGGTCAGC 0 2100 1   
GGCCTTGTAGCTGACAGTCTTCAGC 0 651 0   
GCCCGAAGCGGTGGCACTTCTCCAG 0 433 0   
CGACAGGATCCCCTGGGTGGCCCCC 0 2154 1   
GTCCTCCGTGGCCAGAGCAAAGAGG 0 306 0   
GGTCAACTTTCTGACTGGTGAGAGG 0 5096 1   
GAGGCCCAGAGAGGGGCAGCTCCGG 0 3532 0   
GCTCATCAAGCTCGCTGCTTCCAGG 0 1806 0   
GGGCAACTTTGGCAGCGTGGAGCTG 0 2589 1   
GTGGTAGCTGGAGTTTTGAGAGATG 0 5206 0   
CAGCCCCCAGGACTTTGACAGCTTC 0 1308 1   
GCTGAGGCGAGAGAATGGTGTGAAC 0 4394 0   
CCCCATCTACGTGCAGCCCCCCATC 0 1474 0   
CAGCTGGCTGGCACCAGGTGGCCAC 0 1943 0   
CTTGGTGAAGGACCCATGGCCCAGG 0 1677 0   
GACGGGGTTTCACCTTGTTAGCCAG 0 4486 1   
CCGGGGCTGTCGCCATGAGGTGGTG 0 1707 1   
CCAGCTCTATGCCTGCCAAGACCCC 0 2517 1   
CGAGAGGAAAGTCCCACTCGGCTCC 0 10 0   
GATGGGGAGGCCCGAAAGACAGAGG 0 1732 1   
GCCCGTGTATCTCTTTGGGATCCTG 0 4709 1   
CCCCAAGGAACCCTGAGGTCAGGGG 0 5338 0   
CCGGCACTCGCTCATGGCCAAGTAC 0 789 1   
CGAGTAGCTGGGATTACAGGTGTGC 0 3939 1   
GACCCGCTAGGCGACAATACAGGTG 0 2623 1   
CGTCACCATGCCCATCAGTGCCCTG 0 2262 1   
GATGTTGTCCGAGAGGGATTCGGGG 0 3084 0   
\*  \*  \*  \*\* \*   \*  \* \*  \*   
MAP Score: 170.74   
  
Motif 8   
GATGCCGCTGGCCTTGGCAGCCTGC 0 264 0   
CCCGCTCGGGGCCCCGGGCCCCCCC 0 190 1   
GGGCCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
GAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTG 0 3913 0   
GAGGCTGAGGTGGGAGGATCACTTG 0 4049 0   
GCTGCTGAAGGTCATGGATGCCAAG 0 1758 1   
GGGCCGCCAGAGCCTGCGGCTGGTC 0 2778 1   
GGTGCTCCAGGACTGGCAGGTCAAG 0 484 0   
GCAGGCCTTGTAGCTGACAGTCTTC 0 654 0   
GTCGCGCAAGCAGCCGCTGGGCAGG 0 2811 0   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GTTCGTGGCGCTCGTGGACGGCTAC 0 1119 1   
CTGGCAGGCGGCCACGCGGCGCAGG 0 759 0   
GCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCCACC 0 886 0   
CAGGCCCTGGATCAGGTCGCGCAGG 0 690 0   
CACCCAGGGGATCCTGTCGGTGAGC 0 2148 0   
GTGGCTCGGGGGGAACCAGCAGGAC 0 333 0   
GCTGGAGGAGGGCCAGAGGCTGCCG 0 3258 1   
CCTGCAGCGGCACCGCGCGCGCCTC 0 2838 1   
GCTGCAGCACAGCGGGCCAGACCAG 0 2667 1   
CCTCGTGGAGAGCGAGGCACACGTC 0 2964 1   
CCTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGC 0 1087 0   
GTGCCAGGGCACCAGGTGTGGGGTC 0 2467 0   
GAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCCTAG 0 4365 0   
GCAGCTCTCCCGGCCGCTGGGCCTG 0 628 0   
GGAGCCCAGGTACTCCATGCCCTTG 0 2901 0   
GCTGGGCAAGGGCAACTTTGGCAGC 0 2580 1   
CCACCCCATCTACGTGCAGCCCCCC 0 1477 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
GAAGCAGAGGTTGCACTGAGCCGAG 0 3881 0   
CCGCGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGC 0 1018 1   
GTGCCACCGCTTCGGGCTACGCAAG 0 441 1   
GGCCGTGTTGGACCTGGCCCGGATG 0 594 1   
CAGCCCCTCGGCCGAGTTCCTGCGG 0 3183 1   
CTTGCAGAAGAAGTGCTGGGAGTCC 0 1158 0   
GGCCGAGCAGTGCCACGGCCCCATC 0 1215 1   
GAAGCTGCAGGTGGTCAAACAGCTG 0 1968 1   
GGCGCAGTGGCTCATGCCTGTAATC 0 4568 0   
GAGCGGCTGGATCCAGCCGGGGCCG 0 826 1   
GTTTCGGGCGGCCAGGTCGCGGTGC 0 2937 0   
GAGGCCCACGGGGAGGCGCCCACTC 0 537 0   
GCAGCACGAGATGCCGGTACGACAC 0 1834 0   
GGTTCACGAGCTCATGAAGCTGTGC 0 3306 1   
CTTCCACGTGGGCCTCCCTGGGGCC 0 858 1   
GTCGCAGAAGGGCTGGAGGACCTCC 0 957 0   
GGCCCGGAGCTGCCCCTCTCTGGGC 0 3529 1   
CGCCCTGGGCCCCCAGCTGGACATG 0 3366 1   
CTTCGGGGTCGTCCTGTACGAGCTC 0 3135 1   
CCACCACCTCATGGCGACAGCCCCG 0 1708 0   
GATGGGCATGGTGACGCCACTAAAC 0 2253 0   
CGCTCTGTCGCCCAGGCTGGAGTAC 0 4329 1   
CATGGCCAAGTACATCATGGACCTG 0 801 1   
CTATGAGCCGGTCCAGAGGCCCTCC 0 2382 1   
CTACGTGGTCCGCGAGCCAGGCCAG 0 3039 1   
GCGGCAGAGGGCGGGGACATCCCGC 0 3222 0   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
CCAGGCGATGCCGCCGTCACCAGCC 0 918 0   
CAGCCCCCTCCCGAGCCAGGAGCAC 0 2056 0   
GGGCCCCTAGCCCACAGGACCGGCC 0 3332 1   
GCAGTTGCTGTGGCTGGGACTCTGC 0 4673 1   
CGTGGACAAGAGGCTGCATGAACGC 0 138 0   
CTCTCGCTGCCTCCCGGCTCTGCCC 0 29 1   
GTGGGGCTGGAGGGAAGGACAGGGC 0 5272 0   
GCGCCTCCCGGAGACACTCGGGGGC 0 2173 0   
CTCGGACAACATCTTCTCTCGCCAG 0 3096 1   
GCAGCACATGCAGGGCACCAGCCTC 0 163 0   
GGTCCTCTACTTCAGGAACACCCCC 0 3571 1   
CCCCCAGGTGTACAAATTCCTGCAC 0 1894 0   
GTCTCACACCCCCGGCTTCCGCTCC 0 3395 0   
CCACGGCGTGTGCATGGCTGGAGAC 0 1860 1   
GGAGGAGCAGCAGAAGCTTAACCTG 0 5131 0   
GTGTCTCTCCTCGAAGATCGTGGGG 0 2538 0   
GATGATGTGGGTGGGCTGTGACCTC 0 1568 0   
CCCTCACTTCCTGCTGTATCCCCAG 0 1508 1   
GACCCGCTAGGCGACAATACAGGTG 0 2623 1   
CTTTGGGGACCACTTGGCTGAGGAC 0 231 1   
GATGGCCAGGCTGATCTCGAACTCC 0 4018 1   
CATCAACAAGCTCAAGACTGGGGGC 0 1254 1   
GAACCCTGAGGTCAGGGGAGACAGC 0 5331 0   
CTTGGTGAAGGACCCATGGCCCAGG 0 1677 0   
GCACCAGGTGGCCACGTTTTCGCAG 0 1933 0   
GGGGGCTGGGCTGAGGCCTCAGTAC 0 5359 1   
GCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAG 0 4417 1   
CTTTGCCCAGCACCGCAGTGACCTG 0 510 1   
GCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCC 0 4741 1   
CTATCTGGAGGACAAAGGCCTGCCC 0 2007 1   
CCCTCTCTGGGTCTCAGTTCTGTCC 0 5033 1   
CCAGCAGCCTCGGCGGTGCCACCTC 0 1183 0   
GATTCAGATCCTCAAAGCACTGCAC 0 2712 1   
GTGGGGGTATATGAGGGAAGGCTGC 0 5237 0   
GCAGCTTAGCTAGGCCGAAGTCAGC 0 2995 0   
CTTGCCTAGCGGGCAGGGACCCTGG 0 67 0   
\*  \*\* \*  \*  \*  \*   \* \*  \*   
MAP Score: 157.189   
  
Motif 9   
CAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCCACC 0 4742 1   
GTGAGTGGGCGCCTCCCCGTGGGCCTC 0 535 1   
CAGGCGGTGCTCTCCGGCCGGGCCAAC 0 1024 0   
GGGGGCCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
CCGAGGCTGCTGGAGGAAGTGGCCGAG 0 1195 1   
CGGTGCACGCAGCGGCGGGAGCCCAGG 0 2916 0   
CAGGCCCAGCGGCCGGGAGAGCTGCTG 0 628 1   
GCCACGCGGCGCAGGGCTCTGCGCACC 0 747 0   
CTGGGGGGGCCCGGGGCCCCGAGCGGG 0 190 0   
CCCTCTTTGCTCTGGCCACGGAGGACC 0 305 1   
GAGCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCCACC 0 886 0   
GACTTTCAGCGGGAGATTCAGATCCTC 0 2698 1   
GGGGCTCTGGCCTGGCTCGCGGACCAC 0 3043 0   
CGGAAGGTGCTCCTGGCTCGGGAGGGG 0 2050 1   
CTCGTGCTGCTCCACGGCGTGTGCATG 0 1849 1   
CCGAGTTCCCAGGGCTGCCCGAGGCTC 0 1088 1   
CCGGGCCGCCAGAGCCTGCGGCTGGTC 0 2776 1   
CACTGCCACCCCATCTACGTGCAGCCC 0 1480 0   
GTCTCACACCCCCGGCTTCCGCTCCAC 0 3393 0   
CACCGCGCGCGCCTCGATGCCAGCCGC 0 2848 1   
CGCCATGAGGTGGTGGATGGGGAGGCC 0 1717 1   
CTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCG 0 4549 0   
CAGCCTCTGGCCCTCCTCCAGCAGTTC 0 3253 0   
GTGGTCAGCCGGAAGTAGCCGTCCACG 0 1131 0   
GACCTAATCCAGAGGTCTGCGGGCAGG 0 3477 0   
GTCAAACAGCTGGCCTACGCCCTCAAC 0 1981 1   
CTGCGCGACCTGATCCAGGGCCTGAGC 0 691 1   
CTGGTTGGCCTCAGCCGACCCCACAGC 0 1417 1   
GTGTTAAGCCTGGAGATGCTCACCGAC 0 2131 1   
GAGGTGCTCCAGGACTGGCAGGTCAAG 0 484 0   
CTGCGCCTCCCGGAGACACTCGGGGGC 0 2173 0   
CTGCTGAAGGTCATGGATGCCAAGCAC 0 1759 1   
CGCAGCCCCCAGGACTTTGACAGCTTC 0 1306 1   
GTGTCAGTGGGGCTCTCTGAGTCCTGG 0 3684 1   
GGCTGCTTGCGCGACTTCCTGCAGCGG 0 2821 1   
GGGGTCGTCCTGTACGAGCTCTTCACC 0 3139 1   
CAGGCAGACCGGCACTCGCTCATGGCC 0 781 1   
GACAGCCTGGAGTGGCATGAGAACCTG 0 1654 1   
GAGCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTAG 0 4580 1   
CTCAGCCTGGCCGTGTTGGACCTGGCC 0 586 1   
GCCATGGGGCAGGCCTTTGTCCTCCAG 0 2011 0   
CCCACTCTGGCCCTGGGGCTGGGGAAG 0 5292 1   
CACCTGGTGCCCTGGCACCTCGTGATG 0 2474 1   
GGCGGCCCCGGCTGGATCCAGCCGCTC 0 826 0   
GTCTGTGTCCAGCTGTCTCCCCTGACC 0 5320 1   
CTGGGCAAGGGCAACTTTGGCAGCGTG 0 2581 1   
GCCCTGGTGGCCGTGAAACAGCTGCAG 0 2647 1   
CAGACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
GACCTGTGCGTGCAGGCTGCCAAGGCC 0 253 1   
CCCTCGGCCGAGTTCCTGCGGATGATG 0 3187 1   
GCGAGCTTGATGAGCCAAGTGTCGTAC 0 1816 1   
CTCTCCACGAGGATGTTTCGGGCGGCC 0 2949 0   
CAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAAC 0 4169 0   
GCGCCACTGTACTCCAGCCTGGGCGAC 0 4335 0   
GTGGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGCCCCTAGCCCACAGGACCGGCCATC 0 3333 1   
GAGAAGATGTGGCTCGGGGGGAACCAG 0 339 0   
CCCGAGTAGCTGGGATTACAGGTGTGC 0 3937 1   
CCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCGCCC 0 4421 1   
GTGCCAGCCAGCTGGAAGCTGCAGGTG 0 1954 1   
CTGATCGTGGTCCAGAGAGGTCACAGC 0 1552 1   
GAGTTCGAGATCAGCCTGGCCATCATG 0 4015 0   
GGGGTGTTCCTGAAGTAGAGGACCCTC 0 3568 0   
CAGGGTTCCTTGGGGGCTGGGCTGAGG 0 5348 1   
GGGACTTTCCTCTCGCTGCCTCCCGGC 0 20 1   
GCCTATGAGCCGGTCCAGAGGCCCTCC 0 2380 1   
GACATTAGCATCAAGCAGGCCCCGCGC 0 997 1   
CGGGGTTTCACCTTGTTAGCCAGGATG 0 4488 1   
GCCCGGAGCTGCCCCTCTCTGGGCCTC 0 3530 1   
GGGCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGG 0 430 1   
GAGGAGGAGCAGCAGAAGCTTAACCTG 0 5131 0   
CGGAGGCTGGTGCCCTGCATGTGCTGC 0 161 1   
GTGAACCTCAGCAGGGCAGGCAGGAGG 0 3286 0   
CAGCCTTCCCTCATATACCCCCACTAC 0 5238 1   
GTGACAGTGGGCAAGTTCCTTTCCCTC 0 5011 1   
GCCTGGACCCAGGGAGAACAGGAGGTC 0 937 1   
GAGGCACACGTCAAGATCGCTGACTTC 0 2977 1   
GAGGATGCCAGCACCCAAGTCCTGCTG 0 370 1   
CAGGGTCCCTGCCCGCTAGGCAAGTTG 0 68 1   
CCCAGGGTGGAGTGCAGTGGTGCGATC 0 3855 1   
CTGGCCCTGCTGATTCAACAGTGCATG 0 2353 1   
CCCGAATCCCTCTCGGACAACATCTTC 0 3085 1   
GTCAAGCGGCAGCAGCTTAGCTAGGCC 0 3004 0   
GAGAGAATGGTGTGAACCCAGGAGGCG 0 4384 0   
GAGATGTACTTGAGGTGTCTCTCCTCG 0 2550 0   
GGGGCTCACGTCCTGGCTCCTATGTTC 0 1274 1   
GCGGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
GGCAAAGTCCAGAGTGATGGGGCCGTG 0 1228 0   
CACCCAGAGGGCAAACACCACTCCCTG 0 3436 1   
GGGAGGCTGAGGTGGGAGGATCACTTG 0 4049 0   
CTGAGTCAGATGACATTTCACAAGATC 0 1621 1   
GGGTCACTCAGCTTGATGAAGGGCGGG 0 2088 0   
\* \*     \*\* \*  \*   \* \*  \*  \*   
MAP Score: 156.97   
  
Motif 10   
CTGCAAGGAGGTGGCACCGCCGAGG 0 1176 1   
CTGGCAGGCGGCCACGCGGCGCAGG 0 759 0   
CAGGTCGCGGTGCACGCAGCGGCGG 0 2925 0   
CAGCCGGAAGTAGCCGTCCACGAGC 0 1128 0   
CCGCGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGC 0 1018 1   
CAGCTTCCAGCTGGCTGGCACCAGG 0 1950 0   
CTGGAGGAGGGCCAGAGGCTGCCGG 0 3259 1   
CAGCCGCAGGCTCTGGCGGCCCGGG 0 2775 0   
CAGGATGCCGCTGGCCTTGGCAGCC 0 267 0   
CTGCAGGAAGTCGCGCAAGCAGCCG 0 2820 0   
CTGCTGCCCGCTCGGGGCCCCGGGC 0 184 1   
CTGGAGGAAGTGGCCGAGCAGTGCC 0 1204 1   
CAGCTCCACGCTGCCAAAGTTGCCC 0 2589 0   
CTCCCCGTGGGCCTCAGTCTCAAGG 0 547 1   
CGGCATCTCGTGCTGCTCCACGGCG 0 1843 1   
CAGGCCCTGGATCAGGTCGCGCAGG 0 690 0   
CAGCATGTCCAGCTGGGGGCCCAGG 0 3369 0   
GAGCGGGATGTCCCCGCCCTCTGCC 0 3220 1   
CGGCTGGATCCAGCCGGGGCCGCCG 0 829 1   
GAGGAGGAAGCTGTCAAAGTCCTGG 0 1314 0   
GGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCAGCG 0 33 0   
CGCCATGAGGTGGTGGATGGGGAGG 0 1717 1   
CACCATGATGGCCAGGCTGATCTCG 0 4012 1   
CACCGACAGGATCCCCTGGGTGGCC 0 2151 1   
GAGGTGCCAGGGCACCAGGTGTGGG 0 2470 0   
CACGCACAGGTCCTCAGCCAAGTGG 0 240 0   
CGCGTGGCTGGTGACGGCGGCATCG 0 913 1   
CTCCCGGCCGCTGGGCCTGCTCTCG 0 622 0   
CAGGGAGAACAGGAGGTCCTCCAGC 0 946 1   
GCCCTTGGTGGCCACGACGGGCTGG 0 880 1   
CACGGAGAAGATGTGGCTCGGGGGG 0 345 0   
GCGCGCCTCGATGCCAGCCGCCTCC 0 2854 1   
CGCCATCCGGGCCAGGTCCAACACG 0 597 0   
GAGGGCCGGGCGCAGTGGCTCATGC 0 4576 0   
CACGTAGATGGGGTGGCAGTGACCC 0 1486 1   
GACCACGTAGTAGTCTTTGTCAAGC 0 3024 0   
GGCCTTGTAGCTGACAGTCTTCAGC 0 651 0   
CTTGGTGAAGGACCCATGGCCCAGG 0 1677 0   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCCC 0 1414 1   
GTGGGGCTTCGGCGCCACGGTCTGG 0 2223 1   
GCCCTGGTGGCCGTGAAACAGCTGC 0 2647 1   
CATCCGCAGGAACTCGGCCGAGGGG 0 3186 0   
CCTGAAGTAGAGGACCCTCATAAGG 0 3562 0   
GTCCTGGAGCACCTCTTTGCCCAGC 0 496 1   
GAGGAGGAGCAGCAGAAGCTTAACC 0 5133 0   
GGCCCCCAAGTGGACAGAGCTGGCC 0 2334 1   
CAGGTGGGAAAACTGAAGCCCTAGG 0 4787 0   
CATGAAGCTGTGCTGGGCCCCTAGC 0 3318 1   
GGGCTGCCTCATCCGGCGCAGCCCC 0 1377 1   
CCTCAAGTACATCTCACAGCTGGGC 0 2562 1   
CCTCCAGCCCCACTCTGGCCCTGGG 0 5284 1   
CAGGTGGTCAAACAGCTGGCCTACG 0 1975 1   
CTCGCTCTCCACGAGGATGTTTCGG 0 2955 0   
CTTCATCAAGCTGAGTGACCCTGGG 0 2094 1   
CAGGCTGGAGTACAGTGGCGCAATC 0 4341 1   
GGTCCAGAGGCCCTCCTTCCGAGCC 0 2391 1   
CTTCAGCAGCACCTCTGTCTTTCGG 0 1743 0   
CAGGAAGGAGCCGAGTGGGACTTTC 0 4 1   
CAGGATCCCAAAGAGATACACGGGC 0 4709 0   
CAGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCC 0 4368 0   
GAGCTTGTTGATGGCAAAGTCCAGA 0 1242 0   
CACCTTGTTAGCCAGGATGGTTTCC 0 4496 1   
GACCTTCCACGTGGGCCTCCCTGGG 0 855 1   
CTCCCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGG 0 2688 0   
CTGGCTCGGGAGGGGGCTGATGGGA 0 2062 1   
CTCCTCGAAGATCGTGGGGTCTTGG 0 2532 0   
CTGGGACTACAGCACCTAGTTTTGA 0 4233 1   
CCGGAGCTGCCCCTCTCTGGGCCTC 0 3532 1   
GGTGGACTGGGACCCCAGCCTTTCC 0 4744 0   
CATGCAGTTCTTGTGCTTGGCATCC 0 1773 0   
GAGCCTCGGGCAGCCCTGGGAACTC 0 1090 0   
CGTGATCTGCCCGTCTCGGCCTCCC 0 4533 1   
GCTCGTGAACCTCAGCAGGGCAGGC 0 3292 0   
CCTCAAGTGATCCTCCCACCTCAGC 0 4046 1   
CAGGTACTCCATGCCCTTGCAGATC 0 2895 0   
CTCGTACAGGACGACCCCGAAGCTC 0 3132 0   
CTTCCGGGCAGAGACATTGCCATGG 0 2031 0   
GTGCCCCTTGTAGGGTGAGGACAGA 0 4827 0   
CTGGGACTACAGGCGCCCGCCACCA 0 4430 1   
CCTCAGCCCAGCCCCCAAGGAACCC 0 5350 0   
GCCCAGGCTGGTCTTGAACTCCTGG 0 4172 1   
GGCCACGGAGGACCTGTCCTGCTGG 0 318 1   
GTCCATGATGTACTTGGCCATGAGC 0 798 0   
CCCCCACTACTACTGTAGCCCTGTC 0 5255 1   
CTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGC 0 3922 1   
GACGCCCCTGATCCCTCAGCGTTCA 0 120 1   
GCTCCTGGCAACCTGCTGGGATGGG 0 1455 1   
CAAGGACAAGAGCAGTTGCTGTGGC 0 4662 1   
CAGCACCCAAGTCCTGCTGTACAGG 0 378 1   
CAGAGCCTCGCTCTGTTACCCAGGG 0 3837 1   
GGCCTGCTTGATGCTAATGTCTACG 0 993 0   
CCTCTCGGACAACATCTTCTCTCGC 0 3093 1   
GAGACAGCTGGACACAGACACTTCC 0 5314 0   
CAGAGAGCCCCACTGACACATATGC 0 3678 0   
CATGCAGGGCACCAGCCTCCGTGGA 0 157 0   
\* \*\*  \*  \*  \* \*   \*    \*\*   
MAP Score: 154.262   
  
Motif 11   
GAGGAGGAGCAGCAGAAGCTTAACCTG 0 5131 0   
CAGCCGGGGCCGCCGAGACCTTCCACG 0 839 1   
CAGCACGAGATGCCGGTACGACACTTG 0 1831 0   
GGGCTAGGGGCCCAGCACAGCTTCATG 0 3318 0   
GGGCTGGAGGACCTCCTGTTCTCCCTG 0 946 0   
CTCCGGGAGGCGCAGACACTTAGCTTG 0 2185 1   
CAGCGGCGGGAGCCCAGGTACTCCATG 0 2907 0   
GACCGGCAGCAGCTGCCGGCCCCCAAG 0 2317 1   
GGGCCCGGGGCCCCGAGCGGGCAGCAG 0 184 0   
CCGGGAGAGCTGCTGAAGACTGTCAGC 0 640 1   
CGCGCGGTGCCGCTGCAGGAAGTCGCG 0 2830 0   
CACGCGGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTG 0 892 0   
GGCGTAGGCCAGCTGTTTGACCACCTG 0 1975 0   
GCCCACGGGGAGGCGCCCACTCACCAG 0 532 0   
GTGCTGCTGAAGGTCATGGATGCCAAG 0 1756 1   
GTGCCGGTCTGCCTGGCAGGCGGCCAC 0 769 0   
GCCGAGGGGCTGCAGCTTTTGTCGCAG 0 3168 0   
GGCCGCCAGAGCCTGCGGCTGGTCATG 0 2779 1   
GGGCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGG 0 430 1   
GGCCTGCTCTCGCGCCATCCGGGCCAG 0 607 0   
CCCGCTGTGCTGCAGCTGTTTCACGGC 0 2656 0   
GACCAGGCGGTGCTCTCCGGCCGGGCC 0 1027 0   
GAGCTGGCCCTGCTGATTCAACAGTGC 0 2350 1   
GAGCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTAG 0 4580 1   
GAGGGTCACTGCCACCCCATCTACGTG 0 1486 0   
CTGGAGGAGGGCCAGAGGCTGCCGGCG 0 3259 1   
CGGCTTCCGCTCCACAGCATGTCCAGC 0 3381 0   
CAGACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
GCCCGTCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGG 0 4541 1   
GAGGAAGTGGCCGAGCAGTGCCACGGC 0 1207 1   
GCGCTCGTGGACGGCTACTTCCGGCTG 0 1126 1   
GTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCCAGC 0 4429 0   
CAGGCTGCCAAGGCCAGCGGCATCCTG 0 265 1   
GGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTG 0 3913 0   
CTGCCTGCCCTGCTGAGGTTCACGAGC 0 3290 1   
GTCCTGGAGCACCTCTTTGCCCAGCAC 0 496 1   
GGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCAGCGAG 0 31 0   
GAGCCCGTGTATCTCTTTGGGATCCTG 0 4707 1   
CAGCTGGGCAAGGGCAACTTTGGCAGC 0 2578 1   
GTTCCTGTGGGGCTGCGCCGGATGAGG 0 1383 0   
GCTGATGGGAGCCCGCCCTTCATCAAG 0 2077 1   
GCCCATCACGAGGTGCCAGGGCACCAG 0 2477 0   
CTCGTGGAGAGCGAGGCACACGTCAAG 0 2965 1   
GGGCCCAGGGCGCTGAATGATGGCCGG 0 3351 0   
CTTCGAGAGCTCCTGGCAACCTGCTGG 0 1447 1   
GACCAGCAGAGGGACTTTCAGCGGGAG 0 2686 1   
CGCGACCTGATCCAGGGCCTGAGCTTC 0 694 1   
GTCCTAGGGCTTCAGTTTTCCCACCTG 0 4785 1   
GGCCTCCCCATCCACCACCTCATGGCG 0 1717 0   
GCGGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
CACCGCGACCTGGCCGCCCGAAACATC 0 2938 1   
GGGGTCGTCCTGTACGAGCTCTTCACC 0 3139 1   
CTCGGGGGGAACCAGCAGGACAGGTCC 0 327 0   
GCCATGGGGCAGGCCTTTGTCCTCCAG 0 2011 0   
CAGGGTCCCTGCCCGCTAGGCAAGTTG 0 68 1   
CTGATCGTGGTCCAGAGAGGTCACAGC 0 1552 1   
CAGGGTGAGTGTCTCAGCCTGGCCGTG 0 574 1   
CTCGCTCTGTCGCCCAGGCTGGAGTAC 0 4327 1   
GGGATCCTGTCGGTGAGCATCTCCAGG 0 2139 0   
GGGGCTCACGTCCTGGCTCCTATGTTC 0 1274 1   
CGGAAGGTGCTCCTGGCTCGGGAGGGG 0 2050 1   
GGCGCAGGGCTCTGCGCACCGTCCTCC 0 740 0   
GGGGCTCTGGCCTGGCTCGCGGACCAC 0 3043 0   
GGGCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCC 0 4739 1   
CACGCACAGGTCCTCAGCCAAGTGGTC 0 238 0   
GGGAAGCAGAGGTTGCACTGAGCCGAG 0 3881 0   
GGGAGGCTGAGGTGGGAGGATCACTTG 0 4049 0   
CCTCAGCCCAGCCCCCAAGGAACCCTG 0 5348 0   
GCCCCCGAATCCCTCTCGGACAACATC 0 3082 1   
CTGGCCCTGGGGCTGGGGAAGTGTCTG 0 5298 1   
GTGTCAGTGGGGCTCTCTGAGTCCTGG 0 3684 1   
GGCCCCCAGGTGTACAAATTCCTGCAC 0 1894 0   
GTCAAGCGGCAGCAGCTTAGCTAGGCC 0 3004 0   
GGCGTCACCATGCCCATCAGTGCCCTG 0 2260 1   
GAGACAGAGCCTCGCTCTGTTACCCAG 0 3833 1   
GAGACGGGGTTTCACCTTGTTAGCCAG 0 4484 1   
GGCCTTATGAGGGTCCTCTACTTCAGG 0 3560 1   
CACCAAACCTGGCAGGAACTTTTCACG 0 4862 1   
GGCGGTGCCACCTCCTTGCAGAAGAAG 0 1170 0   
GGGCTTAAGGGGTTGGGAAGATGCGAG 0 3742 0   
GTGAGGAGGAAGCTGTCAAAGTCCTGG 0 1314 0   
GACAGCCTGGAGTGGCATGAGAACCTG 0 1654 1   
CTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGCCTC 0 1084 0   
\* \*\*  \* \*  \*\* \*        \*  \*   
MAP Score: 153.307   
  
Motif 12   
CGCGCGCGCCTCGATGCCAGCCGCCTC 0 2851 1   
CAGGGAGAACAGGAGGTCCTCCAGCCC 0 946 1   
GCGGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
CACGCAGCGGCGGGAGCCCAGGTACTC 0 2911 0   
GATGCCGCTGGCCTTGGCAGCCTGCAC 0 262 0   
CCCCATCTACGTGCAGCCCCCCATCCC 0 1472 0   
GAGGGGCAGCTCCGGGCCTAAGGTCAC 0 3520 0   
CAGCCGGAAGTAGCCGTCCACGAGCGC 0 1126 0   
CATCAACAAGCTCAAGACTGGGGGCTC 0 1254 1   
CTGCTGCCCGCTCGGGGCCCCGGGCCC 0 184 1   
CCGCGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGCAC 0 1018 1   
CGGGAGGGGGCTGATGGGAGCCCGCCC 0 2068 1   
CACGTGGAAGGTCTCGGCGGCCCCGGC 0 841 0   
CGCGGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTGGC 0 890 0   
GGCCACGCGGCGCAGGGCTCTGCGCAC 0 748 0   
CGAGCTCATGAAGCTGTGCTGGGCCCC 0 3312 1   
GCAGTTCTTGTGCTTGGCATCCATGAC 0 1768 0   
CTCGAAGATCGTGGGGTCTTGGCAGGC 0 2527 0   
CGCCATCCGGGCCAGGTCCAACACGGC 0 595 0   
GCCGGCCCCCAAGTGGACAGAGCTGGC 0 2331 1   
GCAGGCCTTGTAGCTGACAGTCTTCAG 0 652 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTGTC 0 2218 0   
GGGCTGCCTCATCCGGCGCAGCCCCAC 0 1377 1   
GAACCAGCAGGACAGGTCCTCCGTGGC 0 319 0   
CCTGATCCAGGGCCTGAGCTTCGTGAC 0 699 1   
CTGCAGCTTCCAGCTGGCTGGCACCAG 0 1951 0   
GCTCTCCCGGCCGCTGGGCCTGCTCTC 0 623 0   
GCGCAAGCAGCCGCTGGGCAGGTACTC 0 2806 0   
CGCCGGCAGCCTCTGGCCCTCCTCCAG 0 3259 0   
CTCGGGGGCCACCCAGGGGATCCTGTC 0 2155 0   
GCACAGCTCCACGCTGCCAAAGTTGCC 0 2590 0   
GCTCTGGCGGCCCGGGCCATAGCTGAC 0 2764 0   
CCCGAAGCTCCAGACGTCTGACTGGCG 0 3115 0   
CAGCATGTCCAGCTGGGGGCCCAGGGC 0 3367 0   
GGTGCCCTGGTGGCCGTGAAACAGCTG 0 2644 1   
CTTGACCTGCCAGTCCTGGAGCACCTC 0 484 1   
CTCCTTGCAGAAGAAGTGCTGGGAGTC 0 1159 0   
GATGATGTGGGTGGGCTGTGACCTCTC 0 1566 0   
GCAGTAGGTGAAGAGCTCGTACAGGAC 0 3145 0   
GAGGGTCCTCTACTTCAGGAACACCCC 0 3568 1   
GATGTACTTGGCCATGAGCGAGTGCCG 0 790 0   
CTACGTGGTCCGCGAGCCAGGCCAGAG 0 3039 1   
GGTGAAGGACCCATGGCCCAGGTTCTC 0 1672 0   
GATGGGGCCGTGGCACTGCTCGGCCAC 0 1213 0   
GAGGGCGTAGGCCAGCTGTTTGACCAC 0 1978 0   
CATGCACACGCCGTGGAGCAGCACGAG 0 1849 0   
ACTGCTCACCCAGAGGGCAAACACCAC 0 3430 1   
GTGCCAGGGCACCAGGTGTGGGGTCTG 0 2465 0   
CTCGGCCGAGTTCCTGCGGATGATGGG 0 3189 1   
CTCCACGGAGAAGATGTGGCTCGGGGG 0 346 0   
GCCCACGGGGAGGCGCCCACTCACCAG 0 532 0   
CCAGACCAGCAGAGGGACTTTCAGCGG 0 2683 1   
CACGAACGACAGAGCCTCGGGCAGCCC 0 1099 0   
CTGGACCGGCTCATAGGCCATGCACTG 0 2371 0   
CCTCGTGGAGAGCGAGGCACACGTCAA 0 2964 1   
GCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCCAC 0 4741 1   
CAGCGAGAGGAAAGTCCCACTCGGCTC 0 11 0   
CTGCCCCATGGCAATGTCTCTGCCCGG 0 2026 1   
ACTGCTCTTGTCCTTGGCTTCCTCCAG 0 4651 0   
GTTCAAGACCAGCCTGGGCAACGTAGC 0 4164 0   
AGTGAGGAGGAAGCTGTCAAAGTCCTG 0 1315 0   
CTCCCGGCTCTGCCCGCCCTTCGAAAG 0 39 1   
CATGAGGTGGTGGATGGGGAGGCCCGA 0 1720 1   
CAGGCTATTCTACAGGCCACGGGAGCC 0 3615 0   
CAGGTTCAAGCGATTCTCCTGCCTCAG 0 3907 1   
CCAGAGCCCCCTCTGTACTGAGGCCTC 0 5371 0   
GCGGAAGCCGGGGGTGTGAGACTCATG 0 3398 1   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCCCAC 0 1414 1   
CAGCTACCACATCCTTGCAGCCTTCCC 0 5221 1   
GATGGCCAGGCTGATCTCGAACTCCTA 0 4018 1   
GCAGAGGTTGCACTGAGCCGAGATCGC 0 3876 0   
AGGCATGAGCCACTGCGCCCGGCCCTC 0 4574 1   
GGTGAGGAGGAGCAGCAGAAGCTTAAC 0 5134 0   
GATGGGCATGGTGACGCCACTAAACAC 0 2251 0   
GGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCC 0 4432 0   
CGGGCTCCCCTAAAAGGCAGAGTCCCA 0 4687 0   
CCCCAGGGCCAGAGTGGGGCTGGAGGG 0 5283 0   
GGGGCTGCGGCGGAGAACATAGGAGCC 0 1288 0   
\*  \*  \*  \*  \*  \* \*   \*  \* \*   
MAP Score: 152.635   
  
Motif 13   
CCCACTCGGCTCCTTCCTGTG 0 2 0   
CGGGAGGCAGCGAGAGGAAAG 0 24 0   
CTGAGGGATCAGGGGCGTCTC 0 118 0   
CAGCCTCTTGTCCACGGAGGC 0 147 1   
GGGCAGCAGCACATGCAGGGC 0 172 0   
GGGGGGCCCGGGGCCCCGAGC 0 193 0   
CTGCACGCACAGGTCCTCAGC 0 247 0   
CAAGGCCAGCGGCATCCTGCC 0 273 1   
CCAGCAGGACAGGTCCTCCGT 0 322 0   
CCCGAAGCGGTGGCACTTCTC 0 436 0   
GACCTGCCAGTCCTGGAGCAC 0 487 1   
GCCCAGCACCGCAGTGACCTG 0 514 1   
GGGCGCCTCCCCGTGGGCCTC 0 541 1   
GTCCAACACGGCCAGGCTGAG 0 586 0   
CCGGATGGCGCGAGAGCAGGC 0 612 1   
CGGCCGGGAGAGCTGCTGAAG 0 637 1   
CAGCTACAAGGCCTGCCTACC 0 663 1   
CCCAAGCCTGCGCGACCTGAT 0 684 1   
CCAGGGCCTGAGCTTCGTGAC 0 705 1   
GACGGTGCGCAGAGCCCTGCG 0 744 1   
CCGCGTGGCCGCCTGCCAGGC 0 765 1   
CTCGCTCATGGCCAAGTACAT 0 795 1   
CTGGATCCAGCCGCTCCAGGT 0 821 0   
GTGGAAGGTCTCGGCGGCCCC 0 844 0   
CACCAAGGGCCCCAGGGAGGC 0 869 0   
GAGCAGCCCCAGCCCGTCGTG 0 892 0   
GTGGCTGGTGACGGCGGCATC 0 916 1   
CAGGGAGAACAGGAGGTCCTC 0 946 1   
GGCCAACGCGCGGGGCCTGCT 0 1010 0   
GCCGGAGAGCACCGCCTGGTC 0 1033 1   
GGCCGAGTTCCCAGGGCTGCC 0 1086 1   
CACGAGCGCCACGAACGACAG 0 1114 0   
CGGCTACTTCCGGCTGACCAC 0 1137 1   
GCAGAAGAAGTGCTGGGAGTC 0 1159 0   
CCGAGGCTGCTGGAGGAAGTG 0 1195 1   
GAGCAGTGCCACGGCCCCATC 0 1219 1   
CTTGTTGATGGCAAAGTCCAG 0 1243 0   
CCAGGACGTGAGCCCCCAGTC 0 1269 0   
CTGGGGGCTGCGGCGGAGAAC 0 1297 0   
GCGCCGGATGAGGCAGCCCTT 0 1375 0   
CTGGTTGGCCTCAGCCGACCC 0 1417 1   
CAACCTGCTGGGATGGGGGGC 0 1463 1   
CACGTAGATGGGGTGGCAGTG 0 1486 1   
CTGGGGATACAGCAGGAAGTG 0 1512 0   
GACCACGATCAGGTTGGACTT 0 1543 0   
CAGAGAGGTCACAGCCCACCC 0 1564 1   
GCCCAGGTTCTCATGCCACTC 0 1663 0   
CGCCATGAGGTGGTGGATGGG 0 1717 1   
GAGGTGCTGCTGAAGGTCATG 0 1753 1   
CACGAGATGCCGGTACGACAC 0 1834 0   
CATGCACACGCCGTGGAGCAG 0 1855 0   
CGTGGCCACCTGGTGCCAGCC 0 1942 1   
CTGCAGGTGGTCAAACAGCTG 0 1972 1   
CAGATAGTTGAGGGCGTAGGC 0 1993 0   
GACAAAGGCCTGCCCCATGGC 0 2017 1   
GAGCACCTTCCGGGCAGAGAC 0 2041 0   
CTGGCTCGGGAGGGGGCTGAT 0 2062 1   
CTTGATGAAGGGCGGGCTCCC 0 2083 0   
CCTGTCGGTGAGCATCTCCAG 0 2140 0   
CTCGGGGGCCACCCAGGGGAT 0 2161 0   
CGGGAGGCGCAGACACTTAGC 0 2188 1   
GGCGCCGAAGCCCCACTTGTC 0 2218 0   
GGCACTGATGGGCATGGTGAC 0 2263 0   
CGGCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
CCCCAAGTGGACAGAGCTGGC 0 2337 1   
GGAGGGCCTCTGGACCGGCTC 0 2386 0   
GGGCACCAGGTGTGGGGTCTG 0 2465 0   
CAAGTACATCTCACAGCTGGG 0 2565 1   
CTCCACGCTGCCAAAGTTGCC 0 2590 0   
CTGGTGGCCGTGAAACAGCTG 0 2650 1   
CAGCACAGCGGGCCAGACCAG 0 2671 1   
GCGGCCCGGGCCATAGCTGAC 0 2764 0   
CAGAGCCTGCGGCTGGTCATG 0 2785 1   
CCTGCCCAGCGGCTGCTTGCG 0 2811 1   
GCGGTGCCGCTGCAGGAAGTC 0 2833 0   
GAGGCGGCTGGCATCGAGGCG 0 2857 0   
CTCGCAGATCTGCAAGGGCAT 0 2889 1   
GGAGTACCTGGGCTCCCGCCG 0 2910 1   
CTGCGTGCACCGCGACCTGGC 0 2931 1   
CTCGCTCTCCACGAGGATGTT 0 2959 0   
GTCAAGCGGCAGCAGCTTAGC 0 3010 0   
CTCGCGGACCACGTAGTAGTC 0 3034 0   
CTGGAGCTTCGGGGTCGTCCT 0 3129 1   
CTTCACCTACTGCGACAAAAG 0 3159 1   
CTGCAGCCCCTCGGCCGAGTT 0 3180 1   
CGGGGACATCCCGCTCACATC 0 3215 0   
CTGCTGGAGGAGGGCCAGAGG 0 3256 1   
CAGGGCAGGCAGGAGGCGCCG 0 3281 0   
CAGCTTCATGAGCTCGTGAAC 0 3307 0   
CCCAGGGCGCTGAATGATGGC 0 3354 0   
CCCCGGCTTCCGCTCCACAGC 0 3390 0   
CACCCAGAGGGCAAACACCAC 0 3436 1   
GGGGCAGCTCCGGGCCTAAGG 0 3524 0   
CCTCTACTTCAGGAACACCCC 0 3574 1   
CCACGGGAGCCCCCCCAAATG 0 3605 0   
GGGCCAGGACTCAGAGAGCCC 0 3693 0   
CTCGGCTCAGTGCAACCTCTG 0 3881 1   
CAGGTTCAAGCGATTCTCCTG 0 3907 1   
CCGGGTGTGGTGGTGCACACC 0 3957 0   
CACCATGATGGCCAGGCTGAT 0 4012 1   
CTGGGTGCAGTGGCTCATGCC 0 4093 0   
GACCAGCCTGGGCAACGTAGC 0 4164 0   
CTGGGACTACAGCACCTAGTT 0 4233 1   
GCCACTGTACTCCAGCCTGGG 0 4339 0   
GAGCTTGCAGTGAGCCTAGAT 0 4363 0   
CTGAGGCGAGAGAATGGTGTG 0 4397 0   
CTGGGACTACAGGCGCCCGCC 0 4430 1   
CGGGCAGATCACGAGGTCAGG 0 4525 0   
CCGGGCGCAGTGGCTCATGCC 0 4575 0   
GCTGTGGCTGGGACTCTGCCT 0 4679 1   
CAGAGGGAACAGCATGCCAAG 0 4917 1   
CAGAAAGTTGACCCTGCACAG 0 5088 0   
GTTAAGCTTCTGCTGCTCCTC 0 5134 1   
GGGGCTGGAGGGAAGGACAGG 0 5274 0   
CTTCCCCAGCCCCAGGGCCAG 0 5298 0   
CAGCCCAGCCCCCAAGGAACC 0 5351 0   
\* \*\*  \*  \* \*\*  \*  \* \*   
MAP Score: 101.044   
  
Motif 14   
CTCGCTGCCTCCCGGCTCTGCCCGCCC 0 31 1   
GGGCAGCAGCACATGCAGGGCACCAGC 0 166 0   
GCGCTGGGGGGGCCCGGGGCCCCGAGC 0 193 0   
GGGGACCACTTGGCTGAGGACCTGTGC 0 235 1   
GGCAGGATGCCGCTGGCCTTGGCAGCC 0 267 0   
CAGGTCCTCCGTGGCCAGAGCAAAGAG 0 307 0   
AAGATGTGGCTCGGGGGGAACCAGCAG 0 336 0   
CAGGACTTGGGTGCTGGCATCCTCCAC 0 367 0   
GGGCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGG 0 430 1   
GACTGGCAGGTCAAGGATAGCACTGGC 0 472 0   
CTGGAGCACCTCTTTGCCCAGCACCGC 0 499 1   
GACCTGGTGAGTGGGCGCCTCCCCGTG 0 529 1   
GGCCTCAGTCTCAAGGAGCAGGGTGAG 0 556 1   
GCCAGGTCCAACACGGCCAGGCTGAGA 0 585 0   
CGCTGGGCCTGCTCTCGCGCCATCCGG 0 612 0   
CTGCTGAAGACTGTCAGCTACAAGGCC 0 649 1   
CCCTGGATCAGGTCGCGCAGGCTTGGG 0 684 0   
GCGGAGGCGTATTCGGAGGACGGTGCG 0 726 1   
CAGGCGGCCACGCGGCGCAGGGCTCTG 0 753 0   
GGCCATGAGCGAGTGCCGGTCTGCCTG 0 781 0   
CCCGGCTGGATCCAGCCGCTCCAGGTC 0 820 0   
GCCGCCGAGACCTTCCACGTGGGCCTC 0 847 1   
CTGGGGCCCTTGGTGGCCACGACGGGC 0 875 1   
GCCGTCACCAGCCACGCGGAGCAGCCC 0 904 0   
GGGCTGGAGGACCTCCTGTTCTCCCTG 0 946 0   
GACATTAGCATCAAGCAGGCCCCGCGC 0 997 1   
CAGGCGGTGCTCTCCGGCCGGGCCAAC 0 1024 0   
GCCTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGCC 0 1086 0   
CTGTCGTTCGTGGCGCTCGTGGACGGC 0 1114 1   
CTGACCACGGACTCCCAGCACTTCTTC 0 1150 1   
AAGGAGGTGGCACCGCCGAGGCTGCTG 0 1180 1   
GGGGCCGTGGCACTGCTCGGCCACTTC 0 1210 0   
GGCTCCTATGTTCTCCGCCGCAGCCCC 0 1288 1   
GTGGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GTGGGGTCGGCTGAGGCCAACCAGAAG 0 1414 0   
CCCATCTACGTGCAGCCCCCCATCCCA 0 1471 0   
GTGGTCCAGAGAGGTCACAGCCCACCC 0 1558 1   
GGGATCTTGTGAAATGTCATCTGACTC 0 1623 0   
GACAGCCTGGAGTGGCATGAGAACCTG 0 1654 1   
GGCCTCCCCATCCACCACCTCATGGCG 0 1717 0   
GAGGTGCTGCTGAAGGTCATGGATGCC 0 1753 1   
CACAAGAACTGCATGGAGTCATTCCTG 0 1783 1   
CGGTACGACACTTGGCTCATCAAGCTC 0 1818 0   
CTCGTGCTGCTCCACGGCGTGTGCATG 0 1849 1   
GGCTGGCACCAGGTGGCCACGTTTTCG 0 1936 0   
CAGGTGGTCAAACAGCTGGCCTACGCC 0 1975 1   
CTGGAGGACAAAGGCCTGCCCCATGGC 0 2011 1   
CGGAAGGTGCTCCTGGCTCGGGAGGGG 0 2050 1   
CTCAGCTTGATGAAGGGCGGGCTCCCA 0 2082 0   
CCCGCTGTGTTAAGCCTGGAGATGCTC 0 2125 1   
GACAGGATCCCCTGGGTGGCCCCCGAG 0 2155 1   
GACAAGTGGGGCTTCGGCGCCACGGTC 0 2218 1   
CGGCAGCTGCTGCCGGTCCTCATAAAA 0 2308 0   
CCCAAGTGGACAGAGCTGGCCCTGCTG 0 2338 1   
CAGTGCATGGCCTATGAGCCGGTCCAG 0 2371 1   
CAGGGCACCAGGTGTGGGGTCTGAGAG 0 2461 0   
GGCACCATTCCACAGCCCATCACGAGG 0 2491 0   
CTCTCCTCGAAGATCGTGGGGTCTTGG 0 2532 0   
GGCAAGGGCAACTTTGGCAGCGTGGAG 0 2584 1   
GGCACCTGTATTGTCGCCTAGCGGGTC 0 2623 0   
GTGCTGCAGCTGTTTCACGGCCACCAG 0 2650 0   
CAGAGGGACTTTCAGCGGGAGATTCAG 0 2692 1   
GTCAAGTATCGTGGTGTCAGCTATGGC 0 2749 1   
CCGGGCCGCCAGAGCCTGCGGCTGGTC 0 2776 1   
CGCAAGCAGCCGCTGGGCAGGTACTCC 0 2805 0   
GACTTCCTGCAGCGGCACCGCGCGCGC 0 2833 1   
GGCATGGAGTACCTGGGCTCCCGCCGC 0 2905 1   
GTGCACCGCGACCTGGCCGCCCGAAAC 0 2935 1   
GCGATCTTGACGTGTGCCTCGCTCTCC 0 2970 0   
GTCAAGCGGCAGCAGCTTAGCTAGGCC 0 3004 0   
GACTACTACGTGGTCCGCGAGCCAGGC 0 3034 1   
GAGAAGATGTTGTCCGAGAGGGATTCG 0 3087 0   
GACGTCTGGAGCTTCGGGGTCGTCCTG 0 3124 1   
GCCGAGGGGCTGCAGCTTTTGTCGCAG 0 3168 0   
GAGGGCGGGGACATCCCGCTCACATCC 0 3214 0   
CGCCTCTTGGAACTGCTGGAGGAGGGC 0 3244 1   
CAGGGCAGGCAGGAGGCGCCGGCAGCC 0 3275 0   
CACGAGCTCATGAAGCTGTGCTGGGCC 0 3310 1   
GCGCTGAATGATGGCCGGTCCTGTGGG 0 3342 0   
CTGGGCCCCCAGCTGGACATGCTGTGG 0 3370 1   
CTCCTGCCCGCAGACCTCTGGATTAGG 0 3475 1   
GAGGGGCAGCTCCGGGCCTAAGGTCAC 0 3520 0   
GTCATGGGGGTGTTCCTGAAGTAGAGG 0 3574 0   
GGGGGCTCCCGTGGCCTGTAGAATAGC 0 3612 1   
CTCAGGGGGCCAGGGCTTAAGGGGTTG 0 3754 0   
GTGCAGTGGTGCGATCTCGGCTCAGTG 0 3866 1   
CTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGC 0 3916 0   
GAGTTCGAGATCAGCCTGGCCATCATG 0 4015 0   
GCCCAGGCTGGTCTTGAACTCCTGGGC 0 4172 1   
CTGTACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCG 0 4329 0   
GCGGGCGCCTGTAGTCCCAGCTACTTG 0 4423 0   
GGCCGGGCGCAGTGGCTCATGCCTGTA 0 4571 0   
GGGATCCTGAAAGGGGGCAGGAAAGGC 0 4725 1   
CTCACGCTTGGCATGCTGTTCCCTCTG 0 4917 0   
CTCTGGGTCTCAGTTCTGTCCCCTGCA 0 5037 1   
GAGCTTACCCCTTGGCTGTGCAGGGTC 0 5073 1   
CAGGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5131 1   
CACTACTACTGTAGCCCTGTCCTTCCC 0 5259 1   
TCCAGCCCCACTCTGGCCCTGGGGCTG 0 5286 1   
GTCCAGCTGTCTCCCCTGACCTCAGGG 0 5326 1   
\* \*  \*  \*     \*\* \*  \*   \* \*   
MAP Score: 84.1779   
  
Motif 15   
CTCTCGCTGCCTCCCGGCTCTGCCC 0 29 1   
CCATGAGTGCAACTTGCCTAGCGGG 0 79 0   
GGCACCAGCCTCCGTGGACAAGAGG 0 150 0   
CCCGAGCGGGCAGCAGCACATGCAG 0 175 0   
GATAGGCGCTGGGGGGGCCCGGGGC 0 200 0   
CTTTGGGGACCACTTGGCTGAGGAC 0 231 1   
CGTGCAGGCTGCCAAGGCCAGCGGC 0 261 1   
CAAAGAGGGAGTGGTACACAGGCAG 0 289 0   
CCAGCAGGACAGGTCCTCCGTGGCC 0 318 0   
CACGGAGAAGATGTGGCTCGGGGGG 0 345 0   
GCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGG 0 432 1   
GCCAGTGCTATCCTTGACCTGCCAG 0 472 1   
CCTGGAGCACCTCTTTGCCCAGCAC 0 498 1   
GGCGCCCACTCACCAGGTCACTGCG 0 523 0   
CCCCGTGGGCCTCAGTCTCAAGGAG 0 549 1   
CAGGGTGAGTGTCTCAGCCTGGCCG 0 574 1   
CTCTCGCGCCATCCGGGCCAGGTCC 0 603 0   
GCAGCTCTCCCGGCCGCTGGGCCTG 0 628 0   
GCTTGGGGGTAGGCAGGCCTTGTAG 0 666 0   
GCGCGACCTGATCCAGGGCCTGAGC 0 693 1   
GGAGGCGTATTCGGAGGACGGTGCG 0 728 1   
GGCGGCCACGCGGCGCAGGGCTCTG 0 753 0   
CCATGAGCGAGTGCCGGTCTGCCTG 0 781 0   
CAAGTACATCATGGACCTGGAGCGG 0 807 1   
CGTGGAAGGTCTCGGCGGCCCCGGC 0 841 0   
CTCCCTGGGGCCCTTGGTGGCCACG 0 871 1   
CAGCCACGCGGAGCAGCCCCAGCCC 0 898 0   
CCAGGGAGAACAGGAGGTCCTCCAG 0 945 1   
CGTAGACATTAGCATCAAGCAGGCC 0 993 1   
CCGCGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGC 0 1018 1   
GAGGCCGAGTTCCCAGGGCTGCCCG 0 1084 1   
GGCTCTGTCGTTCGTGGCGCTCGTG 0 1110 1   
GTCCGTGGTCAGCCGGAAGTAGCCG 0 1137 0   
CCAGCACTTCTTCTGCAAGGAGGTG 0 1164 1   
CCACTTCCTCCAGCAGCCTCGGCGG 0 1192 0   
CGGAGAACATAGGAGCCAGGACGTG 0 1280 0   
GAAGCTGTCAAAGTCCTGGGGGCTG 0 1308 0   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGCAACCTGCTGGGATGGGGGGCTG 0 1461 1   
GGGTCACTGCCACCCCATCTACGTG 0 1486 0   
CAAAGAAAAGTCCAACCTGATCGTG 0 1536 1   
GGCTGAACCAAGGATGATGTGGGTG 0 1580 0   
CAGCCTGGAGTGGCATGAGAACCTG 0 1656 1   
GCCCCGGTAAATCTTGGTGAAGGAC 0 1689 0   
CCATGAGGTGGTGGATGGGGAGGCC 0 1719 1   
GACAGAGGTGCTGCTGAAGGTCATG 0 1749 1   
GTACGACACTTGGCTCATCAAGCTC 0 1818 0   
CGGCATCTCGTGCTGCTCCACGGCG 0 1843 1   
GGCTGGAGACAGCACCATGGTGCAG 0 1875 1   
GCTTCCAGCTGGCTGGCACCAGGTG 0 1948 0   
CAAACAGCTGGCCTACGCCCTCAAC 0 1983 1   
CATGGGGCAGGCCTTTGTCCTCCAG 0 2011 0   
CAATGTCTCTGCCCGGAAGGTGCTC 0 2037 1   
GTCACTCAGCTTGATGAAGGGCGGG 0 2088 0   
CAGCCCCGCTGTGTTAAGCCTGGAG 0 2121 1   
CACCCAGGGGATCCTGTCGGTGAGC 0 2148 0   
GCGCCTCCCGGAGACACTCGGGGGC 0 2173 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
CGTCACCATGCCCATCAGTGCCCTG 0 2262 1   
GGGCCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
CAAGTGGACAGAGCTGGCCCTGCTG 0 2340 1   
CATGGCCTATGAGCCGGTCCAGAGG 0 2376 1   
GACCCCACACCTGGTGCCCTGGCAC 0 2467 1   
GTGTCTCTCCTCGAAGATCGTGGGG 0 2538 0   
GTACATCTCACAGCTGGGCAAGGGC 0 2568 1   
CTTTGGCAGCGTGGAGCTGTGCCGC 0 2595 1   
GCAGCTGTTTCACGGCCACCAGGGC 0 2647 0   
CAGCGGGCCAGACCAGCAGAGGGAC 0 2676 1   
CTTTGAGGATCTGAATCTCCCGCTG 0 2704 0   
GCCGCAGGCTCTGGCGGCCCGGGCC 0 2773 0   
GGTCATGGAGTACCTGCCCAGCGGC 0 2799 1   
CTTGCGCGACTTCCTGCAGCGGCAC 0 2826 1   
GGAGGCGGCTGGCATCGAGGCGCGC 0 2854 0   
CTATTCCTCGCAGATCTGCAAGGGC 0 2883 1   
CACGCAGCGGCGGGAGCCCAGGTAC 0 2913 0   
GGCCGCCCGAAACATCCTCGTGGAG 0 2949 1   
GCTTGACAAAGACTACTACGTGGTC 0 3024 1   
GCGAGAGAAGATGTTGTCCGAGAGG 0 3093 0   
GTCAGACGTCTGGAGCTTCGGGGTC 0 3120 1   
GCTGCAGCTTTTGTCGCAGTAGGTG 0 3162 0   
CTCGGCCGAGTTCCTGCGGATGATG 0 3189 1   
GGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
CCTCTTGGAACTGCTGGAGGAGGGC 0 3246 1   
CCGGCGCCTCCTGCCTGCCCTGCTG 0 3280 1   
CGAGCTCATGAAGCTGTGCTGGGCC 0 3312 1   
CCGGCCATCATTCAGCGCCCTGGGC 0 3351 1   
CATGCTGTGGAGCGGAAGCCGGGGG 0 3387 1   
GCCCGGAGCTGCCCCTCTCTGGGCC 0 3530 1   
CAGAGGCCTTATGAGGGTCCTCTAC 0 3556 1   
CCCCCCCAAATGCAATGTCATGGGG 0 3592 0   
CCAGGACTCAGAGAGCCCCACTGAC 0 3686 0   
CAACCCCTTAAGCCCTGGCCCCCTG 0 3754 1   
CACCCTGGGTAACAGAGCGAGGCTC 0 3839 0   
GCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAG 0 3922 0   
CGAGATCAGCCTGGCCATCATGGTG 0 4012 0   
CCAACACTTTGGGAGGCTGAGGTGG 0 4061 0   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
GACGGAGTCTCGCTCTGTCGCCCAG 0 4319 1   
GGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG 0 4368 1   
CCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGG 0 4418 1   
GGGAGGCCGAGACGGGCAGATCACG 0 4533 0   
GCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTAG 0 4582 1   
CAGAGAAACAGAGATCGGGGAGCAG 0 4629 0   
GCTCCCCTAAAAGGCAGAGTCCCAG 0 4686 0   
CTTTGGGATCCTGAAAGGGGGCAGG 0 4721 1   
GGAACAGCATGCCAAGCGTGAGAAG 0 4922 1   
GACAGTGGGCAAGTTCCTTTCCCTC 0 5013 1   
GCTTACCCCTTGGCTGTGCAGGGTC 0 5075 1   
CATGCAGGTTAAGCTTCTGCTGCTC 0 5127 1   
GACAGGGCTACAGTAGTAGTGGGGG 0 5255 0   
CCCAGGGCCAGAGTGGGGCTGGAGG 0 5284 0   
CTGTGTCCAGCTGTCTCCCCTGACC 0 5322 1   
\*   \* \*     \*  \*\* \*  \*\* \*   
MAP Score: 51.0984   
  
Motif 16   
GAAGGAGCCGAGTGGGACTTTCCTC 0 7 1   
GGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCAGCG 0 33 0   
GTTGCACTCATGGCACCTCCAAGTG 0 91 1   
CGTGGACAAGAGGCTGCATGAACGC 0 138 0   
GCAGCACATGCAGGGCACCAGCCTC 0 163 0   
GGGGGGCCCGGGGCCCCGAGCGGGC 0 189 0   
CCTTGGCAGCCTGCACGCACAGGTC 0 253 0   
GGTCCTCCGTGGCCAGAGCAAAGAG 0 307 0   
GTGGCTCGGGGGGAACCAGCAGGAC 0 333 0   
GTTTGGGCTGGAGAAGTGCCACCGC 0 426 1   
CAAAGAGGTGCTCCAGGACTGGCAG 0 490 0   
GCACCGCAGTGACCTGGTGAGTGGG 0 519 1   
CCTCCCCGTGGGCCTCAGTCTCAAG 0 546 1   
CACGGCCAGGCTGAGACACTCACCC 0 576 0   
CTCTCGCGCCATCCGGGCCAGGTCC 0 603 0   
CAGGCCCAGCGGCCGGGAGAGCTGC 0 628 1   
GCAGGCCTTGTAGCTGACAGTCTTC 0 654 0   
GGATCAGGTCGCGCAGGCTTGGGGG 0 682 0   
GGGCCTGAGCTTCGTGACGCGGAGG 0 708 1   
GCAGGGCTCTGCGCACCGTCCTCCG 0 739 0   
CGTGGCCGCCTGCCAGGCAGACCGG 0 768 1   
CATGATGTACTTGGCCATGAGCGAG 0 795 0   
CTGGAGCGGCTGGATCCAGCCGGGG 0 823 1   
GAGGCCCACGTGGAAGGTCTCGGCG 0 849 0   
CCTGGGGCCCTTGGTGGCCACGACG 0 874 1   
CTGGGGCTGCTCCGCGTGGCTGGTG 0 901 1   
CATCGCCTGGACCCAGGGAGAACAG 0 933 1   
CATCAAGCAGGCCCCGCGCGTTGGC 0 1005 1   
CAGTGACCAGGCGGTGCTCTCCGGC 0 1033 0   
GAGCCTCGGGCAGCCCTGGGAACTC 0 1090 0   
GTGGCGCTCGTGGACGGCTACTTCC 0 1123 1   
CACGGACTCCCAGCACTTCTTCTGC 0 1155 1   
GGAGGTGGCACCGCCGAGGCTGCTG 0 1182 1   
GATGGGGCCGTGGCACTGCTCGGCC 0 1215 0   
CATCAACAAGCTCAAGACTGGGGGC 0 1254 1   
GGGGCTGCGGCGGAGAACATAGGAG 0 1290 0   
CACAGACAGTGAGGAGGAAGCTGTC 0 1324 0   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGAGCTCTCGAAGACTGCTGTGGGG 0 1435 0   
GGATGGGGGGCTGCACGTAGATGGG 0 1473 1   
CCTGATCGTGGTCCAGAGAGGTCAC 0 1551 1   
CACCCACATCATCCTTGGTTCAGCC 0 1580 1   
CCAGCTGAGTCAGATGACATTTCAC 0 1617 1   
CAGCCTGGAGTGGCATGAGAACCTG 0 1656 1   
CATGAGGTGGTGGATGGGGAGGCCC 0 1720 1   
GGTGCTGCTGAAGGTCATGGATGCC 0 1755 1   
CATGGAGTCATTCCTGGAAGCAGCG 0 1794 1   
CCAAGTGTCGTACCGGCATCTCGTG 0 1830 1   
CCACGGCGTGTGCATGGCTGGAGAC 0 1860 1   
CTATGGCCCCCAGGTGTACAAATTC 0 1900 0   
GCACCAGGTGGCCACGTTTTCGCAG 0 1933 0   
CTGGAAGCTGCAGGTGGTCAAACAG 0 1965 1   
CATTGCCATGGGGCAGGCCTTTGTC 0 2017 0   
CCCGAGCCAGGAGCACCTTCCGGGC 0 2047 0   
CCCGCCCTTCATCAAGCTGAGTGAC 0 2088 1   
CGGTGAGCATCTCCAGGCTTAACAC 0 2131 0   
CTCGGGGGCCACCCAGGGGATCCTG 0 2157 0   
GTGGCGCCGAAGCCCCACTTGTCAG 0 2216 0   
GATGGGCATGGTGACGCCACTAAAC 0 2253 0   
GGGCCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
GACAGAGCTGGCCCTGCTGATTCAA 0 2346 1   
GGGCCTCTGGACCGGCTCATAGGCC 0 2379 0   
GCCAGGGCACCAGGTGTGGGGTCTG 0 2465 0   
CGTGGGGTCTTGGCAGGCATAGAGC 0 2520 0   
CTTGCCCAGCTGTGAGATGTACTTG 0 2565 0   
GCGGCACAGCTCCACGCTGCCAAAG 0 2595 0   
GGTGCCCTGGTGGCCGTGAAACAGC 0 2644 1   
GCAGCACAGCGGGCCAGACCAGCAG 0 2670 1   
CTATGGCCCGGGCCGCCAGAGCCTG 0 2769 1   
GCTGGGCAGGTACTCCATGACCAGC 0 2796 0   
GCTGCAGGAAGTCGCGCAAGCAGCC 0 2821 0   
GCACCGCGCGCGCCTCGATGCCAGC 0 2847 1   
CATGCCCTTGCAGATCTGCGAGGAA 0 2886 0   
GTACCTGGGCTCCCGCCGCTGCGTG 0 2913 1   
CTCGCTCTCCACGAGGATGTTTCGG 0 2955 0   
CAAGCGGCAGCAGCTTAGCTAGGCC 0 3004 0   
CTGGCTCGCGGACCACGTAGTAGTC 0 3034 0   
GACCCCGAAGCTCCAGACGTCTGAC 0 3120 0   
CGAGGGGCTGCAGCTTTTGTCGCAG 0 3168 0   
GTTCCTGCGGATGATGGGATGTGAG 0 3198 1   
GGATGTCCCCGCCCTCTGCCGCCTC 0 3225 1   
GAACTGCTGGAGGAGGGCCAGAGGC 0 3253 1   
GCAGGGCAGGCAGGAGGCGCCGGCA 0 3278 0   
CGAGCTCATGAAGCTGTGCTGGGCC 0 3312 1   
GGGGCCCAGGGCGCTGAATGATGGC 0 3354 0   
CATGCTGTGGAGCGGAAGCCGGGGG 0 3387 1   
CCTGCCCGCAGACCTCTGGATTAGG 0 3477 1   
GGGGCAGCTCCGGGCCTAAGGTCAC 0 3520 0   
CTGGGCCTCAGAGGCCTTATGAGGG 0 3548 1   
CATGGGGGTGTTCCTGAAGTAGAGG 0 3574 0   
GGGGCTCCCGTGGCCTGTAGAATAG 0 3613 1   
GAAGCAGAGGTTGCACTGAGCCGAG 0 3881 0   
GAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTG 0 3907 0   
GCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAG 0 3933 1   
CGAGATCAGCCTGGCCATCATGGTG 0 4012 0   
GAGGCTGAGGTGGGAGGATCACTTG 0 4049 0   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
GGTGCTGTAGTCCCAGCTATTTAGG 0 4224 0   
GCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCG 0 4321 0   
GAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCCTAG 0 4365 0   
GAGGCTGAGGCGAGAGAATGGTGTG 0 4397 0   
GACGGGGTTTCACCTTGTTAGCCAG 0 4486 1   
GGAGGCCGAGACGGGCAGATCACGA 0 4532 0   
CAGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAG 0 4564 0   
GGGGCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAG 0 4738 1   
CTCACCCTACAAGGGGCACAAAGGG 0 4833 1   
GCATGCCAAGCGTGAGAAGGCTCAG 0 4928 1   
CAGGGTCAACTTTCTGACTGGTGAG 0 5093 1   
GATTCTCATGCAGGTTAAGCTTCTG 0 5121 1   
CTTGCAGCCTTCCCTCATATACCCC 0 5234 1   
CCTTCCCTCCAGCCCCACTCTGGCC 0 5279 1   
CCAGCTGTCTCCCCTGACCTCAGGG 0 5328 1   
CTTGGGGGCTGGGCTGAGGCCTCAG 0 5356 1   
\*  \*\* \*  \*  \*\* \*      \* \*   
MAP Score: 37.8948   
  
Motif 17   
GGAGCCGAGTGGGACTTTCCTCTCG 0 10 1   
GAAGGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCA 0 36 0   
GAAGAGACGCCCCTGATCCCTCAGC 0 115 1   
CAGGGCACCAGCCTCCGTGGACAAG 0 153 0   
GGCCCCGAGCGGGCAGCAGCACATG 0 178 0   
GAGGACCTGTGCGTGCAGGCTGCCA 0 250 1   
GTGGTACACAGGCAGGATGCCGCTG 0 279 0   
GGAGGACCTGTCCTGCTGGTTCCCC 0 324 1   
GCTGGCATCCTCCACGGAGAAGATG 0 357 0   
CTTGCGTAGCCCGAAGCGGTGGCAC 0 441 0   
CTTGACCTGCCAGTCCTGGAGCACC 0 484 1   
TGCCCAGCACCGCAGTGACCTGGTG 0 513 1   
CTCCTTGAGACTGAGGCCCACGGGG 0 549 0   
CAGCCTGGCCGTGTTGGACCTGGCC 0 588 1   
GATGGCGCGAGAGCAGGCCCAGCGG 0 615 1   
GGCCTTGTAGCTGACAGTCTTCAGC 0 651 0   
CCTGCGCGACCTGATCCAGGGCCTG 0 690 1   
CCTCCGAATACGCCTCCGCGTCACG 0 720 0   
GGTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCGTG 0 747 1   
CTGCCAGGCAGACCGGCACTCGCTC 0 777 1   
GTACATCATGGACCTGGAGCGGCTG 0 810 1   
CGTGGAAGGTCTCGGCGGCCCCGGC 0 841 0   
GGCCACCAAGGGCCCCAGGGAGGCC 0 868 0   
CGACGGGCTGGGGCTGCTCCGCGTG 0 894 1   
CTGGTGACGGCGGCATCGCCTGGAC 0 920 1   
CCAGGGAGAACAGGAGGTCCTCCAG 0 945 1   
GCAGGCCCCGCGCGTTGGCCCGGCC 0 1011 1   
TAACAGTGACCAGGCGGTGCTCTCC 0 1036 0   
GCCGAGTTCCCAGGGCTGCCCGAGG 0 1087 1   
TCTGTCGTTCGTGGCGCTCGTGGAC 0 1113 1   
CTACTTCCGGCTGACCACGGACTCC 0 1140 1   
GGAGGTGGCACCGCCGAGGCTGCTG 0 1182 1   
CGTGGCACTGCTCGGCCACTTCCTC 0 1207 0   
CCTGGGGGCTGCGGCGGAGAACATA 0 1294 0   
CCTCCTCACTGTCTGTGTCCAGAAC 0 1332 1   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
GGGGTCGGCTGAGGCCAACCAGAAG 0 1414 0   
CCCCATCTACGTGCAGCCCCCCATC 0 1474 0   
GCTGTGACCTCTCTGGACCACGATC 0 1554 0   
GATCCCTGCTGACAGCCTGGAGTGG 0 1644 1   
CCTGGGCCATGGGTCCTTCACCAAG 0 1677 1   
CCTCCCCATCCACCACCTCATGGCG 0 1717 0   
GTCGTACCGGCATCTCGTGCTGCTC 0 1836 1   
GCTGTCTCCAGCCATGCACACGCCG 0 1863 0   
GCAGATACATGTCTATGGCCCCCAG 0 1912 0   
CTGCAGCTTCCAGCTGGCTGGCACC 0 1953 0   
CTGGAGGACAAAGGCCTGCCCCATG 0 2011 1   
TGTCTCTGCCCGGAAGGTGCTCCTG 0 2040 1   
GGAGGGGGCTGATGGGAGCCCGCCC 0 2070 1   
CAAGCTGAGTGACCCTGGGGTCAGC 0 2100 1   
TGTGTTAAGCCTGGAGATGCTCACC 0 2130 1   
CAGGATCCCCTGGGTGGCCCCCGAG 0 2157 1   
CTTGGAAGCTGACAAGTGGGGCTTC 0 2208 1   
GGAGTTTCTTAGCAGGATCCAGGGC 0 2281 0   
TATGAGGACCGGCAGCAGCTGCCGG 0 2311 1   
CAGCAGGGCCAGCTCTGTCCACTTG 0 2340 0   
CATGGCCTATGAGCCGGTCCAGAGG 0 2376 1   
CAGGTGTGGGGTCTGAGAGGAGCTC 0 2455 0   
CTGCCAAGACCCCACGATCTTCGAG 0 2529 1   
GTACATCTCACAGCTGGGCAAGGGC 0 2568 1   
GTGGAGCTGTGCCGCTATGACCCGC 0 2605 1   
GGCGACAATACAGGTGCCCTGGTGG 0 2632 1   
CGTGAAACAGCTGCAGCACAGCGGG 0 2658 1   
CCCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGGTC 0 2686 0   
TGTCAGCTATGGCCCGGGCCGCCAG 0 2763 1   
CCTGCGGCTGGTCATGGAGTACCTG 0 2790 1   
CAGGAAGTCGCGCAAGCAGCCGCTG 0 2817 0   
CATCGAGGCGCGCGCGGTGCCGCTG 0 2842 0   
GTACTCCATGCCCTTGCAGATCTGC 0 2892 0   
CTGGGCTCCCGCCGCTGCGTGCACC 0 2917 1   
GAGGATGTTTCGGGCGGCCAGGTCG 0 2943 0   
CCACGTAGTAGTCTTTGTCAAGCGG 0 3022 0   
CCCCGAATCCCTCTCGGACAACATC 0 3084 1   
CCAGTCAGACGTCTGGAGCTTCGGG 0 3117 1   
CCTGTACGAGCTCTTCACCTACTGC 0 3147 1   
CAGGAACTCGGCCGAGGGGCTGCAG 0 3180 0   
TGAGCGGGATGTCCCCGCCCTCTGC 0 3219 1   
CCTCTTGGAACTGCTGGAGGAGGGC 0 3246 1   
GCAGGCAGGAGGCGCCGGCAGCCTC 0 3273 0   
TGGGCTAGGGGCCCAGCACAGCTTC 0 3321 0   
CCGGCCATCATTCAGCGCCCTGGGC 0 3351 1   
CCGGCTTCCGCTCCACAGCATGTCC 0 3384 0   
CATGCCTTCACTGCTCACCCAGAGG 0 3421 1   
TGTGACCTTAGGCCCGGAGCTGCCC 0 3519 1   
CATGACATTGCATTTGGGGGGGCTC 0 3595 1   
TGGGCCAGGACTCAGAGAGCCCCAC 0 3690 0   
CCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAG 0 3925 0   
TTAGCCGGGTGTGGTGGTGCACACC 0 3957 0   
CACCATGATGGCCAGGCTGATCTCG 0 4012 1   
CCTCAAGTGATCCTCCCACCTCAGC 0 4046 1   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
CGAGAGAATGGTGTGAACCCAGGAG 0 4387 0   
GCTGGGACTACAGGCGCCCGCCACC 0 4429 1   
CTCGTGATCTGCCCGTCTCGGCCTC 0 4531 1   
TGGGATTACAGGCATGAGCCACTGC 0 4565 1   
TCTGGAGGAAGCCAAGGACAAGAGC 0 4650 1   
GCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCC 0 4741 1   
GGTGGGAAAACTGAAGCCCTAGGAC 0 4785 0   
TCTGTCCTCACCCTACAAGGGGCAC 0 4827 1   
CCCCACTCTGGCCCTGGGGCTGGGG 0 5291 1   
CCTCAGGGTTCCTTGGGGGCTGGGC 0 5345 1   
GGCCTCAGTACAGAGGGGGCTCTGG 0 5373 1   
\*  \*      \* \*  \*\* \*\* \*  \*   
MAP Score: 33.2379   
  
Motif 18   
CGAGAGGAAAGTCCCACTCGGCTCC 0 10 0   
GAAGGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCA 0 36 0   
AAAGTCCAGGGTCCCTGCCCGCTAG 0 62 1   
GAAGAGACGCCCCTGATCCCTCAGC 0 115 1   
CGGGCAGCAGCACATGCAGGGCACC 0 169 0   
CTCGGGGCCCCGGGCCCCCCCAGCG 0 194 1   
CAGGTCCTCAGCCAAGTGGTCCCCA 0 234 0   
GTGGTACACAGGCAGGATGCCGCTG 0 279 0   
TCTGGCCACGGAGGACCTGTCCTGC 0 315 1   
CCCCCCGAGCCACATCTTCTCCGTG 0 345 1   
CAGCACCCAAGTCCTGCTGTACAGG 0 378 1   
CTCCAGCCCAAACCAATTGGGGAAG 0 414 0   
CTTGCGTAGCCCGAAGCGGTGGCAC 0 441 0   
CTTGACCTGCCAGTCCTGGAGCACC 0 484 1   
CCAGGTCACTGCGGTGCTGGGCAAA 0 511 0   
GAGTGGGCGCCTCCCCGTGGGCCTC 0 537 1   
GGAGCAGGGTGAGTGTCTCAGCCTG 0 570 1   
CGCCATCCGGGCCAGGTCCAACACG 0 597 0   
CTCCCGGCCGCTGGGCCTGCTCTCG 0 622 0   
GCTGAAGACTGTCAGCTACAAGGCC 0 651 1   
CCTGCGCGACCTGATCCAGGGCCTG 0 690 1   
GCTCTGCGCACCGTCCTCCGAATAC 0 734 0   
CCTGCGCCGCGTGGCCGCCTGCCAG 0 759 1   
GCTCATGGCCAAGTACATCATGGAC 0 798 1   
CCCCGGCTGGATCCAGCCGCTCCAG 0 823 0   
GAGGCCCACGTGGAAGGTCTCGGCG 0 849 0   
CGTCGTGGCCACCAAGGGCCCCAGG 0 874 0   
CACCAGCCACGCGGAGCAGCCCCAG 0 901 0   
GGAGGTCCTCCAGCCCTTCTGCGAC 0 957 1   
GGCCGGGCCAACGCGCGGGGCCTGC 0 1011 0   
GAGTTCCCAGGGCTGCCCGAGGCTC 0 1090 1   
GCCGTCCACGAGCGCCACGAACGAC 0 1116 0   
GCTGACCACGGACTCCCAGCACTTC 0 1149 1   
CTGCAAGGAGGTGGCACCGCCGAGG 0 1176 1   
GCACTGCTCGGCCACTTCCTCCAGC 0 1203 0   
TAGGAGCCAGGACGTGAGCCCCCAG 0 1271 0   
GAGGAGGAAGCTGTCAAAGTCCTGG 0 1314 0   
TGTGTCCAGAACCCCCTTGGTCCTG 0 1345 1   
GCTGCGCCGGATGAGGCAGCCCTTA 0 1374 0   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCCC 0 1414 1   
TACGTGCAGCCCCCCATCCCAGCAG 0 1467 0   
GCTGTGACCTCTCTGGACCACGATC 0 1554 0   
GTCCTTCACCAAGATTTACCGGGGC 0 1689 1   
GGGCCTCCCCATCCACCACCTCATG 0 1720 0   
GAACTGCATGGAGTCATTCCTGGAA 0 1788 1   
GTACCGGCATCTCGTGCTGCTCCAC 0 1839 1   
CCAGCTGGCTGGCACCAGGTGGCCA 0 1944 0   
GGCGTAGGCCAGCTGTTTGACCACC 0 1977 0   
CTGGAGGACAAAGGCCTGCCCCATG 0 2011 1   
CAATGTCTCTGCCCGGAAGGTGCTC 0 2037 1   
GCTCGGGAGGGGGCTGATGGGAGCC 0 2065 1   
GCTGACCCCAGGGTCACTCAGCTTG 0 2100 0   
GATCCTGTCGGTGAGCATCTCCAGG 0 2139 0   
TGGGTGGCCCCCGAGTGTCTCCGGG 0 2167 1   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
TATGAGGACCGGCAGCAGCTGCCGG 0 2311 1   
CAAGTGGACAGAGCTGGCCCTGCTG 0 2340 1   
CCTCTGGACCGGCTCATAGGCCATG 0 2376 0   
CAGGTGTGGGGTCTGAGAGGAGCTC 0 2455 0   
GGTCTTGGCAGGCATAGAGCTGGGC 0 2515 0   
CTTGAGGTGTCTCTCCTCGAAGATC 0 2544 0   
CACGCTGCCAAAGTTGCCCTTGCCC 0 2583 0   
GCCCTGGTGGCCGTGAAACAGCTGC 0 2647 1   
CAGCGGGCCAGACCAGCAGAGGGAC 0 2676 1   
TGTCAGCTATGGCCCGGGCCGCCAG 0 2763 1   
CCTGCGGCTGGTCATGGAGTACCTG 0 2790 1   
CGGCTGCTTGCGCGACTTCCTGCAG 0 2820 1   
CGGCACCGCGCGCGCCTCGATGCCA 0 2845 1   
CCGCCTCCTTCTCTATTCCTCGCAG 0 2871 1   
CAAGGGCATGGAGTACCTGGGCTCC 0 2901 1   
CCGCTGCGTGCACCGCGACCTGGCC 0 2928 1   
TGACGTGTGCCTCGCTCTCCACGAG 0 2965 0   
CAAGCGGCAGCAGCTTAGCTAGGCC 0 3004 0   
GCCTGGCTCGCGGACCACGTAGTAG 0 3036 0   
CAGGACGACCCCGAAGCTCCAGACG 0 3126 0   
GCTTTTGTCGCAGTAGGTGAAGAGC 0 3156 0   
CAGCCCCTCGGCCGAGTTCCTGCGG 0 3183 1   
GCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTCA 0 3219 0   
GCCCTCCTCCAGCAGTTCCAAGAGG 0 3246 0   
GCAGGCAGGAGGCGCCGGCAGCCTC 0 3273 0   
CTGTGGGCTAGGGGCCCAGCACAGC 0 3324 0   
GTCCAGCTGGGGGCCCAGGGCGCTG 0 3363 0   
GAAGCCGGGGGTGTGAGACTCATGC 0 3401 1   
TCTGTTGACTGGCTGTGTGACCTTA 0 3504 1   
CCGGAGCTGCCCCTCTCTGGGCCTC 0 3532 1   
CCTTATGAGGGTCCTCTACTTCAGG 0 3562 1   
CTACAGGCCACGGGAGCCCCCCCAA 0 3608 0   
CAGTGGGGCTCTCTGAGTCCTGGCC 0 3688 1   
CAGGGGGCCAGGGCTTAAGGGGTTG 0 3754 0   
GAGCCTCGCTCTGTTACCCAGGGTG 0 3839 1   
GCAGAGGTTGCACTGAGCCGAGATC 0 3878 0   
GCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAAC 0 3910 0   
TTAGCCGGGTGTGGTGGTGCACACC 0 3957 0   
CATGATGGCCAGGCTGATCTCGAAC 0 4015 1   
GCTGAGGTGGGAGGATCACTTGAGG 0 4046 0   
GTTGCCCAGGCTGGTCTTGAACTCC 0 4169 1   
CTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGTC 0 4319 0   
TCTCTCGCCTCAGCCTCCCAAGTAG 0 4405 1   
CGGGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTAG 0 4436 0   
CGGGCGCAGTGGCTCATGCCTGTAA 0 4570 0   
GTCCCAGCCACAGCAACTGCTCTTG 0 4668 0   
GCCCGTGTATCTCTTTGGGATCCTG 0 4709 1   
GCTGGGGTCCCAGTCCACCCTAATG 0 4750 1   
TCTGTCCTCACCCTACAAGGGGCAC 0 4827 1   
TTGGAGCCTACAGTTTTGCCCCTTC 0 4978 1   
GAGCAGCAGAAGCTTAACCTGCATG 0 5127 0   
CTGTAGCCCTGTCCTTCCCTCCAGC 0 5267 1   
CACTCTGGCCCTGGGGCTGGGGAAG 0 5294 1   
GGTCAGGGGAGACAGCTGGACACAG 0 5322 0   
CCTCAGCCCAGCCCCCAAGGAACCC 0 5350 0   
\*  \* \*\* \* \* \*     \*  \*  \*   
MAP Score: 24.6442   
  
Motif 19   
GCAGAGCCGGGAGGCAGCG 0 33 0   
GCCTAGCGGGCAGGGACCC 0 70 0   
GCAGGGCACCAGCCTCCGT 0 160 0   
CCCGAGCGGGCAGCAGCAC 0 181 0   
CGCTGGGGGGGCCCGGGGC 0 200 0   
CCTCAGCCAAGTGGTCCCC 0 235 0   
GCAGCCTGCACGCACAGGT 0 254 0   
CAAGGCCAGCGGCATCCTG 0 273 1   
CCAGAGCAAAGAGGGAGTG 0 301 0   
CGGGGGGAACCAGCAGGAC 0 333 0   
GGTGGCACTTCTCCAGCCC 0 430 0   
CCTGCCAGTCCTGGAGCAC 0 489 1   
CCAGGTCACTGCGGTGCTG 0 517 0   
CACGGGGAGGCGCCCACTC 0 537 0   
CAGGGTGAGTGTCTCAGCC 0 574 1   
TCCGGGCCAGGTCCAACAC 0 598 0   
GGCGCGAGAGCAGGCCCAG 0 618 1   
GCCGGGAGAGCTGCTGAAG 0 639 1   
CTTGGGGGTAGGCAGGCCT 0 671 0   
CCTGCGCGACCTGATCCAG 0 690 1   
CCTGAGCTTCGTGACGCGG 0 711 1   
GCAGGGCTCTGCGCACCGT 0 745 0   
CCTGGCAGGCGGCCACGCG 0 766 0   
ACTTGGCCATGAGCGAGTG 0 793 0   
GCGGCCCCGGCTGGATCCA 0 833 0   
CGAGACCTTCCACGTGGGC 0 852 1   
CGTGGCCACCAAGGGCCCC 0 877 0   
CGGGCTGGGGCTGCTCCGC 0 897 1   
CCTGGGTCCAGGCGATGCC 0 931 0   
CGCGCGGGGCCTGCTTGAT 0 1006 0   
GGTGCTCTCCGGCCGGGCC 0 1027 0   
CCAGATTTTAGAGGCCGAG 0 1074 1   
CCAGGGCTGCCCGAGGCTC 0 1096 1   
CGTGGCGCTCGTGGACGGC 0 1122 1   
TCCGGCTGACCACGGACTC 0 1145 1   
GGTGGCACCGCCGAGGCTG 0 1185 1   
CGTGGCACTGCTCGGCCAC 0 1213 0   
ACTGGGGGCTCACGTCCTG 0 1270 1   
CCTGGGGGCTGCGGCGGAG 0 1300 0   
CAGGACCAAGGGGGTTCTG 0 1351 0   
TAAGGGCTGCCTCATCCGG 0 1374 1   
GTTGGCCTCAGCCGACCCC 0 1420 1   
GATGGGGTGGCAGTGACCC 0 1492 1   
TGTGACCTCTCTGGACCAC 0 1558 0   
CATGCCACTCCAGGCTGTC 0 1654 0   
CCTGGGCCATGGGTCCTTC 0 1677 1   
CCGGGGCTGTCGCCATGAG 0 1707 1   
GTGGTGGATGGGGAGGCCC 0 1726 1   
CCATGACCTTCAGCAGCAC 0 1756 0   
CACGAGATGCCGGTACGAC 0 1836 0   
CGTGGCCACCTGGTGCCAG 0 1942 1   
GGTGGTCAAACAGCTGGCC 0 1977 1   
GCAGGCCTTTGTCCTCCAG 0 2011 0   
TCCGGGCAGAGACATTGCC 0 2035 0   
CCTCCCGAGCCAGGAGCAC 0 2056 0   
CCCGCCCTTCATCAAGCTG 0 2088 1   
CGGGGCTGACCCCAGGGTC 0 2110 0   
CCTGGAGATGCTCACCGAC 0 2139 1   
CCTGGGTGGCCCCCGAGTG 0 2165 1   
GAGGCGCAGACACTTAGCT 0 2191 1   
CGTGGCGCCGAAGCCCCAC 0 2223 0   
GATGGGCATGGTGACGCCA 0 2259 0   
GCAGCTGCTGCCGGTCCTC 0 2314 0   
CAAGTGGACAGAGCTGGCC 0 2340 1   
CATGGCCTATGAGCCGGTC 0 2376 1   
GGCTCGGAAGGAGGGCCTC 0 2397 0   
CCAGGGCACCAGGTGTGGG 0 2470 0   
GGCAGGCATAGAGCTGGGC 0 2515 0   
CCTTGCCCAGCTGTGAGAT 0 2572 0   
GCGGGTCATAGCGGCACAG 0 2611 0   
GGCGACAATACAGGTGCCC 0 2632 1   
GCAGCACAGCGGGCCAGAC 0 2670 1   
GAGGGACTTTCAGCGGGAG 0 2694 1   
GCAGTGCTTTGAGGATCTG 0 2716 0   
CCATAGCTGACACCACGAT 0 2756 0   
CCCGGGCCGCCAGAGCCTG 0 2775 1   
GCTGGTCATGGAGTACCTG 0 2796 1   
GCGGCTGCTTGCGCGACTT 0 2819 1   
GCGCGCGGTGCCGCTGCAG 0 2839 0   
GGAGGCGGCTGGCATCGAG 0 2860 0   
CAAGGGCATGGAGTACCTG 0 2901 1   
GCGGTGCACGCAGCGGCGG 0 2925 0   
CTAGGCCGAAGTCAGCGAT 0 2992 0   
GCTGCCGCTTGACAAAGAC 0 3018 1   
CGTGGTCCGCGAGCCAGGC 0 3042 1   
CTGGAGCTTCGGGGTCGTC 0 3129 1   
CTCGGCCGAGGGGCTGCAG 0 3180 0   
GCGGGGACATCCCGCTCAC 0 3218 0   
TCTGGCCCTCCTCCAGCAG 0 3256 0   
CCGGCGCCTCCTGCCTGCC 0 3280 1   
CCGGTCCTGTGGGCTAGGG 0 3336 0   
GGGGGCCCAGGGCGCTGAA 0 3361 0   
GCTGGACATGCTGTGGAGC 0 3381 1   
CCGGGGGTGTGAGACTCAT 0 3405 1   
ACAGGGAGTGGTGTTTGCC 0 3445 0   
CCTGCCCGCAGACCTCTGG 0 3477 1   
CGGGCCTAAGGTCACACAG 0 3516 0   
GAGGCCCAGAGAGGGGCAG 0 3538 0   
CGGGAGCCCCCCCAAATGC 0 3604 0   
GCATATGTGTCAGTGGGGC 0 3678 1   
TTTGGGCCAGGACTCAGAG 0 3698 0   
TAAGCCCTGGCCCCCTGAG 0 3762 1   
CCAGGTTCAAGCGATTCTC 0 3906 1   
GCTGGGATTACAGGTGTGC 0 3945 1   
GATGGCCAGGCTGATCTCG 0 4018 1   
CTGGGCTACAGTGATCCTC 0 4193 1   
GTCTCGCTCTGTCGCCCAG 0 4325 1   
GCGGAGCTTGCAGTGAGCC 0 4368 0   
CCAGCTACTTGGGAGGCTG 0 4415 0   
GCCGGGTGTGGTGGCGGGC 0 4444 0   
CCAGCACTTTGGGAGGCCG 0 4549 0   
GCCGGGCGCAGTGGCTCAT 0 4578 0   
CTGTGGCTGGGACTCTGCC 0 4680 1   
TGCCCCCTTTCAGGATCCC 0 4725 0   
GCTGGGGTCCCAGTCCACC 0 4750 1   
GAAGCCCTAGGACACTCAG 0 4779 0   
CCTGTCCAATGGGACCCTT 0 4808 1   
GCTTGGCATGCTGTTCCCT 0 4920 0   
CCCTTCCATGCAGTGTGAC 0 4997 1   
TCAGAGCTTACCCCTTGGC 0 5070 1   
GCTGCTCCTCCTCACCTGC 0 5145 1   
GCTGGAGGGAAGGACAGGG 0 5273 0   
CCCAGCCCCAGGGCCAGAG 0 5296 0   
TCAGGGGAGACAGCTGGAC 0 5326 0   
CCCAGCCCCCAAGGAACCC 0 5350 0   
\*\* \*\*\*\*   \* \*   \* \*   
MAP Score: 21.3336   
  
Motif 20   
GGGCAGAGCCGGGAGGCAGCGAGAGG 0 28 0   
CTAGCGGGCAGGGACCCTGGACTTTC 0 61 0   
CGGGCAGCAGCACATGCAGGGCACCA 0 168 0   
CTCGGGGCCCCGGGCCCCCCCAGCGC 0 194 1   
CCTGCACGCACAGGTCCTCAGCCAAG 0 243 0   
CAGCAGGACAGGTCCTCCGTGGCCAG 0 316 0   
CTTGGGTGCTGGCATCCTCCACGGAG 0 363 0   
GCTGGAGAAGTGCCACCGCTTCGGGC 0 432 1   
GGTGCTCCAGGACTGGCAGGTCAAGG 0 483 0   
CCAGGTCACTGCGGTGCTGGGCAAAG 0 510 0   
GCCTCCCCGTGGGCCTCAGTCTCAAG 0 545 1   
CCTGGCCGTGTTGGACCTGGCCCGGA 0 591 1   
CCGGCCGCTGGGCCTGCTCTCGCGCC 0 618 0   
CCCAAGCCTGCGCGACCTGATCCAGG 0 684 1   
CCTCCGAATACGCCTCCGCGTCACGA 0 719 0   
GGTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCGTGG 0 747 1   
CTGCCAGGCAGACCGGCACTCGCTCA 0 777 1   
GTACATCATGGACCTGGAGCGGCTGG 0 810 1   
GAAGGTCTCGGCGGCCCCGGCTGGAT 0 836 0   
CACGTGGGCCTCCCTGGGGCCCTTGG 0 862 1   
GGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCCA 0 888 0   
CAGGCGATGCCGCCGTCACCAGCCAC 0 916 0   
GGCCAACGCGCGGGGCCTGCTTGATG 0 1005 0   
CGAGTTCCCAGGGCTGCCCGAGGCTC 0 1089 1   
GTCGTTCGTGGCGCTCGTGGACGGCT 0 1116 1   
GCAGCCTCGGCGGTGCCACCTCCTTG 0 1179 0   
CGTGGCACTGCTCGGCCACTTCCTCC 0 1206 0   
CAGGACCAAGGGGGTTCTGGACACAG 0 1344 0   
CTGCCTCATCCGGCGCAGCCCCACAG 0 1380 1   
GTCGGCTGAGGCCAACCAGAAGGAAG 0 1410 0   
CATCTACGTGCAGCCCCCCATCCCAG 0 1470 0   
GGTATTGGGATTGGGGCTGAACCAAG 0 1593 0   
CCGGGGCTGTCGCCATGAGGTGGTGG 0 1707 1   
CCGGCATCTCGTGCTGCTCCACGGCG 0 1842 1   
GCGAAAACGTGGCCACCTGGTGCCAG 0 1935 1   
GCTGTTTGACCACCTGCAGCTTCCAG 0 1965 0   
GCAGGCCTTTGTCCTCCAGATAGTTG 0 2004 0   
GAGCCAGGAGCACCTTCCGGGCAGAG 0 2043 0   
CTTGATGAAGGGCGGGCTCCCATCAG 0 2078 0   
CCTGGGGTCAGCCCCGCTGTGTTAAG 0 2113 1   
GGCCACCCAGGGGATCCTGTCGGTGA 0 2150 0   
CGAGTGTCTCCGGGAGGCGCAGACAC 0 2178 1   
CGTGGCGCCGAAGCCCCACTTGTCAG 0 2216 0   
GCGTCACCATGCCCATCAGTGCCCTG 0 2261 1   
GGACCGGCAGCAGCTGCCGGCCCCCA 0 2316 1   
GTTGAATCAGCAGGGCCAGCTCTGTC 0 2346 0   
CTCGGAAGGAGGGCCTCTGGACCGGC 0 2388 0   
CGAGGTGCCAGGGCACCAGGTGTGGG 0 2470 0   
CTGCCAAGACCCCACGATCTTCGAGG 0 2529 1   
GCAGCGTGGAGCTGTGCCGCTATGAC 0 2600 1   
GCCCGCTGTGCTGCAGCTGTTTCACG 0 2658 0   
CCCGCTGAAAGTCCCTCTGCTGGTCT 0 2685 0   
GTCAGCTATGGCCCGGGCCGCCAGAG 0 2764 1   
CCTGCGGCTGGTCATGGAGTACCTGC 0 2790 1   
CAGGAAGTCGCGCAAGCAGCCGCTGG 0 2816 0   
CAGCGGCACCGCGCGCGCCTCGATGC 0 2842 1   
GTACTCCATGCCCTTGCAGATCTGCG 0 2891 0   
GCGGTGCACGCAGCGGCGGGAGCCCA 0 2918 0   
CGTGTGCCTCGCTCTCCACGAGGATG 0 2961 0   
GGCCTGGCTCGCGGACCACGTAGTAG 0 3036 0   
GACGACCCCGAAGCTCCAGACGTCTG 0 3122 0   
GAACTCGGCCGAGGGGCTGCAGCTTT 0 3176 0   
GCGGGATGTCCCCGCCCTCTGCCGCC 0 3222 1   
CTTGGAACTGCTGGAGGAGGGCCAGA 0 3249 1   
GCAGGGCAGGCAGGAGGCGCCGGCAG 0 3277 0   
GGCGCTGAATGATGGCCGGTCCTGTG 0 3344 0   
CCCCCAGCTGGACATGCTGTGGAGCG 0 3375 1   
CCAGAGGTCTGCGGGCAGGAGCTATG 0 3470 0   
CAGAGAGGGGCAGCTCCGGGCCTAAG 0 3525 0   
CAGGCCACGGGAGCCCCCCCAAATGC 0 3604 0   
CAGGGGGCCAGGGCTTAAGGGGTTGG 0 3753 0   
CCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGG 0 3924 0   
GCCGGGTGTGGTGGTGCACACCTGTA 0 3953 0   
CACCATGATGGCCAGGCTGATCTCGA 0 4012 1   
GGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACG 0 4168 0   
CTAGGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCC 0 4365 1   
CCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCGAG 0 4408 0   
GCCGGGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTA 0 4437 0   
CCAGCACTTTGGGAGGCCGAGACGGG 0 4542 0   
GAGCCACTGCGCCCGGCCCTCATGTA 0 4580 1   
AGAGATACACGGGCTCCCCTAAAAGG 0 4697 0   
GGCCAGAGTGGGGCTGGAGGGAAGGA 0 5278 0   
\*  \*      \* \*\* \*\* \*  \*   \*   
MAP Score: 17.4822   
  
Motif 21   
CACACAGGAAGGAGCCGAGTGGGAC 0 0 1   
TCCTCTCGCTGCCTCCCGGCTCTGC 0 27 1   
CTAGCGGGCAGGGACCCTGGACTTT 0 62 0   
TGGTGCCCTGCATGTGCTGCTGCCC 0 168 1   
GCTCGGGGCCCCGGGCCCCCCCAGC 0 193 1   
CTTTGGGGACCACTTGGCTGAGGAC 0 231 1   
CGTGCAGGCTGCCAAGGCCAGCGGC 0 261 1   
CAAAGAGGGAGTGGTACACAGGCAG 0 289 0   
CGGGGGGAACCAGCAGGACAGGTCC 0 327 0   
GGACTTGGGTGCTGGCATCCTCCAC 0 367 0   
GTTTGGGCTGGAGAAGTGCCACCGC 0 426 1   
CCTTGACCTGCCAGTCCTGGAGCAC 0 483 1   
CACTCACCAGGTCACTGCGGTGCTG 0 517 0   
GAGACTGAGGCCCACGGGGAGGCGC 0 543 0   
GGCTGAGACACTCACCCTGCTCCTT 0 568 0   
GGCCGTGTTGGACCTGGCCCGGATG 0 594 1   
CTCCCGGCCGCTGGGCCTGCTCTCG 0 622 0   
CTGTCAGCTACAAGGCCTGCCTACC 0 659 1   
AAGCCTGCGCGACCTGATCCAGGGC 0 687 1   
CGTCCTCCGAATACGCCTCCGCGTC 0 723 0   
GTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCGTGG 0 748 1   
CGCCTGCCAGGCAGACCGGCACTCG 0 774 1   
CAAGTACATCATGGACCTGGAGCGG 0 807 1   
GGATCCAGCCGGGGCCGCCGAGACC 0 834 1   
AAGGGCCCCAGGGAGGCCCACGTGG 0 861 0   
GCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCCACC 0 886 0   
CCGCGTGGCTGGTGACGGCGGCATC 0 912 1   
GACCCAGGGAGAACAGGAGGTCCTC 0 942 1   
CGTAGACATTAGCATCAAGCAGGCC 0 993 1   
CCGCGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGC 0 1018 1   
GGCCGAGTTCCCAGGGCTGCCCGAG 0 1086 1   
GTCGTTCGTGGCGCTCGTGGACGGC 0 1116 1   
CTGGGAGTCCGTGGTCAGCCGGAAG 0 1143 0   
CAAGGAGGTGGCACCGCCGAGGCTG 0 1179 1   
GGCACTGCTCGGCCACTTCCTCCAG 0 1204 0   
GAGCCAGGACGTGAGCCCCCAGTCT 0 1268 0   
TGTTCTCCGCCGCAGCCCCCAGGAC 0 1296 1   
CCTCCTCACTGTCTGTGTCCAGAAC 0 1332 1   
AGGGCTGCCTCATCCGGCGCAGCCC 0 1376 1   
GGGGTCGGCTGAGGCCAACCAGAAG 0 1414 0   
CATCCCAGCAGGTTGCCAGGAGCTC 0 1453 0   
AAGTGAGGGTCACTGCCACCCCATC 0 1492 0   
GCTGGTATTGGGATTGGGGCTGAAC 0 1597 0   
CCTGGAGTGGCATGAGAACCTGGGC 0 1659 1   
GCCCCGGTAAATCTTGGTGAAGGAC 0 1689 0   
CCTCCCCATCCACCACCTCATGGCG 0 1717 0   
CCGAAAGACAGAGGTGCTGCTGAAG 0 1743 1   
GTCGTACCGGCATCTCGTGCTGCTC 0 1836 1   
GGTGCTGTCTCCAGCCATGCACACG 0 1866 0   
GCAGGAATTTGTACACCTGGGGGCC 0 1896 1   
CTGGCTGGCACCAGGTGGCCACGTT 0 1940 0   
CCAGCTGTTTGACCACCTGCAGCTT 0 1969 0   
CAGAGACATTGCCATGGGGCAGGCC 0 2023 0   
GAAGGTGCTCCTGGCTCGGGAGGGG 0 2052 1   
CCCAGGGTCACTCAGCTTGATGAAG 0 2094 0   
CAGCCCCGCTGTGTTAAGCCTGGAG 0 2121 1   
CACCCAGGGGATCCTGTCGGTGAGC 0 2148 0   
CCCCGAGTGTCTCCGGGAGGCGCAG 0 2175 1   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
TGAGGACCGGCAGCAGCTGCCGGCC 0 2313 1   
CATGGCCTATGAGCCGGTCCAGAGG 0 2376 1   
CTCTCAGACCCCACACCTGGTGCCC 0 2461 1   
GATGGGCTGTGGAATGGTGCCCAGC 0 2497 1   
CTATGCCTGCCAAGACCCCACGATC 0 2523 1   
GCCCTTGCCCAGCTGTGAGATGTAC 0 2568 0   
GCGGGTCATAGCGGCACAGCTCCAC 0 2605 0   
GCAGCTGTTTCACGGCCACCAGGGC 0 2647 0   
CAGCGGGCCAGACCAGCAGAGGGAC 0 2676 1   
CTTTGAGGATCTGAATCTCCCGCTG 0 2704 0   
CGTGGTGTCAGCTATGGCCCGGGCC 0 2758 1   
GCAGGTACTCCATGACCAGCCGCAG 0 2791 0   
CAGGAAGTCGCGCAAGCAGCCGCTG 0 2817 0   
CATCGAGGCGCGCGCGGTGCCGCTG 0 2842 0   
CAAGGGCATGGAGTACCTGGGCTCC 0 2901 1   
CCGCTGCGTGCACCGCGACCTGGCC 0 2928 1   
CGAAGTCAGCGATCTTGACGTGTGC 0 2980 0   
CTTTGTCAAGCGGCAGCAGCTTAGC 0 3010 0   
CGTGGTCCGCGAGCCAGGCCAGAGC 0 3042 1   
CAGGACGACCCCGAAGCTCCAGACG 0 3126 0   
CCTACTGCGACAAAAGCTGCAGCCC 0 3164 1   
CAGAGGGCGGGGACATCCCGCTCAC 0 3218 0   
CCGCCTCTTGGAACTGCTGGAGGAG 0 3243 1   
GCCAGAGGCTGCCGGCGCCTCCTGC 0 3269 1   
CCCTGCTGAGGTTCACGAGCTCATG 0 3297 1   
CTGTGGGCTAGGGGCCCAGCACAGC 0 3324 0   
GTCCAGCTGGGGGCCCAGGGCGCTG 0 3363 0   
TGCTGTGGAGCGGAAGCCGGGGGTG 0 3389 1   
GGCTGTGTGACCTTAGGCCCGGAGC 0 3514 1   
CAGAGGCCTTATGAGGGTCCTCTAC 0 3556 1   
CAAATGCAATGTCATGGGGGTGTTC 0 3586 0   
GGGGGGCTCCCGTGGCCTGTAGAAT 0 3611 1   
CCCACTGACACATATGCCCATCTGT 0 3670 0   
CCCTGGGTAACAGAGCGAGGCTCTG 0 3837 0   
GCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAG 0 3922 0   
GTTCGAGATCAGCCTGGCCATCATG 0 4015 0   
CCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGC 0 4172 0   
GAGTCTCGCTCTGTCGCCCAGGCTG 0 4323 1   
GGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG 0 4368 1   
GTCCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGG 0 4412 0   
GTTTCCATCTCCTGACCTCGTGATC 0 4515 1   
GCATGAGCCACTGCGCCCGGCCCTC 0 4576 1   
GCTCCCCTAAAAGGCAGAGTCCCAG 0 4686 0   
AAGGGGGCAGGAAAGGCTGGGGTCC 0 4735 1   
CAATGGGACCCTTTCTGTCCTCACC 0 4814 1   
GGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5133 1   
GCCTTCCCTCATATACCCCCACTAC 0 5240 1   
GTAGCCCTGTCCTTCCCTCCAGCCC 0 5269 1   
CACTCTGGCCCTGGGGCTGGGGAAG 0 5294 1   
CTGTGTCCAGCTGTCTCCCCTGACC 0 5322 1   
TGAGGCCTCAGTACAGAGGGGGCTC 0 5370 1   
\*   \* \*   \*    \*\* \*\* \*  \*   
MAP Score: 17.0537   
  
Motif 22   
GGCAGAGCCGGGAGGCAGCG 0 33 0   
AGTCCAGGGTCCCTGCCCGC 0 64 1   
GCTGCTGCCCGCTCGGGGCC 0 183 1   
ATAGGCGCTGGGGGGGCCCG 0 204 0   
CCTGCACGCACAGGTCCTCA 0 249 0   
GGGAGTGGTACACAGGCAGG 0 288 0   
CCTGCTGGTTCCCCCCGAGC 0 335 1   
CGTGGAGGATGCCAGCACCC 0 366 1   
GGCACTTCTCCAGCCCAAAC 0 426 0   
CCAGGACTGGCAGGTCAAGG 0 483 0   
CACTGCGGTGCTGGGCAAAG 0 510 0   
GGAGGCGCCCACTCACCAGG 0 531 0   
CCTTGAGACTGAGGCCCACG 0 552 0   
GGCTGAGACACTCACCCTGC 0 573 0   
GGGCCAGGTCCAACACGGCC 0 594 0   
GATGGCGCGAGAGCAGGCCC 0 615 1   
GGGAGAGCTGCTGAAGACTG 0 642 1   
CCTACCCCCAAGCCTGCGCG 0 678 1   
GGAGGACGGTGCGCAGAGCC 0 740 1   
CAGGCGGCCACGCGGCGCAG 0 760 0   
GCGAGTGCCGGTCTGCCTGG 0 780 0   
CATGGACCTGGAGCGGCTGG 0 816 1   
GTCTCGGCGGCCCCGGCTGG 0 838 0   
GGGCCCCAGGGAGGCCCACG 0 864 0   
CCCAGCCCGTCGTGGCCACC 0 886 0   
CCGTCACCAGCCACGCGGAG 0 910 0   
AGAAGGGCTGGAGGACCTCC 0 957 0   
CAAGCAGGCCCCGCGCGTTG 0 1008 1   
CCCGGCCGGAGAGCACCGCC 0 1029 1   
CCCAGGGCTGCCCGAGGCTC 0 1095 1   
CCACGAGCGCCACGAACGAC 0 1116 0   
GGGAGTCCGTGGTCAGCCGG 0 1146 0   
CAAGGAGGTGGCACCGCCGA 0 1179 1   
GCTGCTGGAGGAAGTGGCCG 0 1200 1   
GCCAGGACGTGAGCCCCCAG 0 1271 0   
AGCTGTCAAAGTCCTGGGGG 0 1311 0   
CAAGGGGGTTCTGGACACAG 0 1344 0   
GGCTGCGCCGGATGAGGCAG 0 1380 0   
CTGCTGGGATGGGGGGCTGC 0 1467 1   
GTCACTGCCACCCCATCTAC 0 1489 0   
GGTCCAGAGAGGTCACAGCC 0 1560 1   
CCTGGAGTGGCATGAGAACC 0 1659 1   
GGTGGTGGATGGGGAGGCCC 0 1725 1   
CCTTCAGCAGCACCTCTGTC 0 1749 0   
GATGCCGGTACGACACTTGG 0 1830 0   
ACACGCCGTGGAGCAGCACG 0 1851 0   
GCTGGCACCAGGTGGCCACG 0 1942 0   
CCACCTGCAGCTTCCAGCTG 0 1962 0   
AGTTGAGGGCGTAGGCCAGC 0 1989 0   
GGGGCAGGCCTTTGTCCTCC 0 2013 0   
CTCTGCCCGGAAGGTGCTCC 0 2043 1   
CCATCAGCCCCCTCCCGAGC 0 2065 0   
GAGTGACCCTGGGGTCAGCC 0 2106 1   
GGATCCCCTGGGTGGCCCCC 0 2159 1   
TCTCCGGGAGGCGCAGACAC 0 2184 1   
CCGTGGCGCCGAAGCCCCAC 0 2223 0   
GCAGCTGCTGCCGGTCCTCA 0 2313 0   
GACAGAGCTGGCCCTGCTGA 0 2346 1   
CTATGAGCCGGTCCAGAGGC 0 2382 1   
GCCAGGGCACCAGGTGTGGG 0 2470 0   
CGAAGATCGTGGGGTCTTGG 0 2532 0   
CAAAGTTGCCCTTGCCCAGC 0 2580 0   
GGTGGCCGTGAAACAGCTGC 0 2652 1   
GCACAGCGGGCCAGACCAGC 0 2673 1   
CTATGGCCCGGGCCGCCAGA 0 2769 1   
ACTCCATGACCAGCCGCAGG 0 2790 0   
CCAGCGGCTGCTTGCGCGAC 0 2816 1   
GCGCGCGGTGCCGCTGCAGG 0 2838 0   
GAAGGAGGCGGCTGGCATCG 0 2862 0   
CCATGCCCTTGCAGATCTGC 0 2892 0   
CGCAGCGGCGGGAGCCCAGG 0 2916 0   
GGGCGGCCAGGTCGCGGTGC 0 2937 0   
GCTGCTGCCGCTTGACAAAG 0 3015 1   
CTGGCTCGCGGACCACGTAG 0 3039 0   
GAGAGAAGATGTTGTCCGAG 0 3096 0   
CGTACAGGACGACCCCGAAG 0 3135 0   
GCTGCAGCCCCTCGGCCGAG 0 3179 1   
GGGACATCCCGCTCACATCC 0 3214 0   
CCAAGAGGCGGCAGAGGGCG 0 3234 0   
GCTGGAGGAGGGCCAGAGGC 0 3258 1   
GCCGGCGCCTCCTGCCTGCC 0 3279 1   
AGCACAGCTTCATGAGCTCG 0 3312 0   
CCCTAGCCCACAGGACCGGC 0 3336 1   
CATTCAGCGCCCTGGGCCCC 0 3359 1   
CCCCCGGCTTCCGCTCCACA 0 3392 0   
CTTAGGCCCGGAGCTGCCCC 0 3525 1   
GCCACGGGAGCCCCCCCAAA 0 3607 0   
CTTTGGGCCAGGACTCAGAG 0 3698 0   
CAGGGGGCCAGGGCTTAAGG 0 3759 0   
AGCAGAGGTTGCACTGAGCC 0 3884 0   
GATTCTCCTGCCTCAGCCTC 0 3918 1   
TTAGCCGGGTGTGGTGGTGC 0 3962 0   
GCATGAGCCACTGCACCCAG 0 4094 1   
GGCGGAGCTTGCAGTGAGCC 0 4368 0   
GCGAGAGAATGGTGTGAACC 0 4393 0   
GTCCCAGCTACTTGGGAGGC 0 4417 0   
GCGCCCGCCACCACACCCGG 0 4442 1   
GAGACGGGCAGATCACGAGG 0 4530 0   
GCATGAGCCACTGCGCCCGG 0 4576 1   
CAAAGAGATACACGGGCTCC 0 4706 0   
GGCTGGGGTCCCAGTCCACC 0 4749 1   
GAGTGGGGCTGGAGGGAAGG 0 5279 0   
GACACTTCCCCAGCCCCAGG 0 5303 0   
CTTGGGGGCTGGGCTGAGGC 0 5356 1   
\*   \* \*\*  \*  \* \*\* \*\*   
MAP Score: 9.60446   
  
Motif 23   
GAAAGTCCCACTCGGCTCCTTCCTGTG 0 2 0   
GGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCAGCGAG 0 31 0   
CAACTTGCCTAGCGGGCAGGGACCCTG 0 68 0   
GCAGCACATGCAGGGCACCAGCCTCCG 0 161 0   
GGGGGGGCCCGGGGCCCCGAGCGGGCA 0 188 0   
GCACAGGTCCTCAGCCAAGTGGTCCCC 0 235 0   
CAGGATGCCGCTGGCCTTGGCAGCCTG 0 265 0   
GGCCAGAGCAAAGAGGGAGTGGTACAC 0 295 0   
GGAGGACCTGTCCTGCTGGTTCCCCCC 0 324 1   
CCCGAAGCGGTGGCACTTCTCCAGCCC 0 430 0   
GCTATCCTTGACCTGCCAGTCCTGGAG 0 478 1   
GTCACTGCGGTGCTGGGCAAAGAGGTG 0 505 0   
GCCCACGGGGAGGCGCCCACTCACCAG 0 532 0   
GTCCAACACGGCCAGGCTGAGACACTC 0 580 0   
CTGGCCCGGATGGCGCGAGAGCAGGCC 0 607 1   
CGGCCGGGAGAGCTGCTGAAGACTGTC 0 637 1   
CGCGCAGGCTTGGGGGTAGGCAGGCCT 0 671 0   
CGTCACGAAGCTCAGGCCCTGGATCAG 0 700 0   
GCTCTGCGCACCGTCCTCCGAATACGC 0 732 0   
CCTGCGCCGCGTGGCCGCCTGCCAGGC 0 759 1   
GTACTTGGCCATGAGCGAGTGCCGGTC 0 787 0   
GACCTGGAGCGGCTGGATCCAGCCGGG 0 820 1   
GAGGCCCACGTGGAAGGTCTCGGCGGC 0 847 0   
GCCCGTCGTGGCCACCAAGGGCCCCAG 0 875 0   
GGGCTGCTCCGCGTGGCTGGTGACGGC 0 904 1   
GGACCTCCTGTTCTCCCTGGGTCCAGG 0 938 0   
GCGCGGGGCCTGCTTGATGCTAATGTC 0 997 0   
GGCCCGGCCGGAGAGCACCGCCTGGTC 0 1027 1   
CTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGCCTC 0 1084 0   
GTCCACGAGCGCCACGAACGACAGAGC 0 1111 0   
GGAGTCCGTGGTCAGCCGGAAGTAGCC 0 1138 0   
CTTCTTCTGCAAGGAGGTGGCACCGCC 0 1170 1   
CTGGAGGAAGTGGCCGAGCAGTGCCAC 0 1204 1   
GCCCCCAGTCTTGAGCTTGTTGATGGC 0 1252 0   
GTCAAAGTCCTGGGGGCTGCGGCGGAG 0 1300 0   
GGGCTGCCTCATCCGGCGCAGCCCCAC 0 1377 1   
GCTCCTGGCAACCTGCTGGGATGGGGG 0 1455 1   
CTGCACGTAGATGGGGTGGCAGTGACC 0 1483 1   
GTCCAACCTGATCGTGGTCCAGAGAGG 0 1545 1   
GTTCTCATGCCACTCCAGGCTGTCAGC 0 1651 0   
GCCCCGGTAAATCTTGGTGAAGGACCC 0 1687 0   
TGTCGCCATGAGGTGGTGGATGGGGAG 0 1714 1   
CATGACCTTCAGCAGCACCTCTGTCTT 0 1747 0   
TGCCAAGCACAAGAACTGCATGGAGTC 0 1776 1   
GTACGACACTTGGCTCATCAAGCTCGC 0 1816 0   
CGGCATCTCGTGCTGCTCCACGGCGTG 0 1843 1   
GTGCAGGAATTTGTACACCTGGGGGCC 0 1894 1   
CGAAAACGTGGCCACCTGGTGCCAGCC 0 1936 1   
CTGGAAGCTGCAGGTGGTCAAACAGCT 0 1965 1   
GCCCTCAACTATCTGGAGGACAAAGGC 0 1999 1   
CCTCCCGAGCCAGGAGCACCTTCCGGG 0 2048 0   
CTTGATGAAGGGCGGGCTCCCATCAGC 0 2077 0   
GGTGAGCATCTCCAGGCTTAACACAGC 0 2128 0   
CTCGGGGGCCACCCAGGGGATCCTGTC 0 2155 0   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTGTC 0 2218 0   
GATGGGCATGGTGACGCCACTAAACAC 0 2251 0   
TATGAGGACCGGCAGCAGCTGCCGGCC 0 2311 1   
CAAGTGGACAGAGCTGGCCCTGCTGAT 0 2340 1   
GCCGGTCCAGAGGCCCTCCTTCCGAGC 0 2388 1   
GATGAGGCTATTGAGGTCACGAATGAC 0 2416 0   
CAGACCCCACACCTGGTGCCCTGGCAC 0 2465 1   
GATCGTGGGGTCTTGGCAGGCATAGAG 0 2521 0   
CGAGGAGAGACACCTCAAGTACATCTC 0 2550 1   
GCTGCCAAAGTTGCCCTTGCCCAGCTG 0 2578 0   
GCAGCTGTTTCACGGCCACCAGGGCAC 0 2645 0   
CTGAAAGTCCCTCTGCTGGTCTGGCCC 0 2680 0   
GCTCTGGCGGCCCGGGCCATAGCTGAC 0 2764 0   
GGGCAGGTACTCCATGACCAGCCGCAG 0 2791 0   
CTGCAGGAAGTCGCGCAAGCAGCCGCT 0 2818 0   
GCTGGCATCGAGGCGCGCGCGGTGCCG 0 2845 0   
GCCCTTGCAGATCTGCGAGGAATAGAG 0 2881 0   
GCGGTGCACGCAGCGGCGGGAGCCCAG 0 2917 0   
CACGAGGATGTTTCGGGCGGCCAGGTC 0 2944 0   
GAAGTCAGCGATCTTGACGTGTGCCTC 0 2977 0   
GGCCTAGCTAAGCTGCTGCCGCTTGAC 0 3004 1   
GGTCCGCGAGCCAGGCCAGAGCCCCAT 0 3045 1   
GATGTTGTCCGAGAGGGATTCGGGGGC 0 3082 0   
GACCCCGAAGCTCCAGACGTCTGACTG 0 3118 0   
GCAGTAGGTGAAGAGCTCGTACAGGAC 0 3145 0   
CTCGGCCGAGGGGCTGCAGCTTTTGTC 0 3172 0   
GGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTCAC 0 3218 0   
GGCCCTCCTCCAGCAGTTCCAAGAGGC 0 3245 0   
GGGCAGGCAGGAGGCGCCGGCAGCCTC 0 3273 0   
GCTGAGGTTCACGAGCTCATGAAGCTG 0 3301 1   
GCCCACAGGACCGGCCATCATTCAGCG 0 3341 1   
CCTGGGCCCCCAGCTGGACATGCTGTG 0 3369 1   
GAGGGGCAGCTCCGGGCCTAAGGTCAC 0 3520 0   
CCTGAAGTAGAGGACCCTCATAAGGCC 0 3560 0   
GACATTGCATTTGGGGGGGCTCCCGTG 0 3598 1   
CCAGGACTCAGAGAGCCCCACTGACAC 0 3684 0   
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAG 0 3922 0   
CACCATGATGGCCAGGCTGATCTCGAA 0 4012 1   
GACCAGCCTGGGCAACGTAGCAAGATC 0 4158 0   
GCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGTC 0 4319 0   
GAGCTTGCAGTGAGCCTAGATTGCGCC 0 4357 0   
GCGCCTGTAGTCCCAGCTACTTGGGAG 0 4419 0   
CATCCTGGCTAACAAGGTGAAACCCCG 0 4488 0   
CCAGCACTTTGGGAGGCCGAGACGGGC 0 4541 0   
AGGCATGAGCCACTGCGCCCGGCCCTC 0 4574 1   
GCAACTGCTCTTGTCCTTGGCTTCCTC 0 4654 0   
GGGCTCCCCTAAAAGGCAGAGTCCCAG 0 4686 0   
CCTGCCCCCTTTCAGGATCCCAAAGAG 0 4719 0   
GGTCCCATTGGACAGGTGGGAAAACTG 0 4797 0   
GAACAGCATGCCAAGCGTGAGAAGGCT 0 4923 1   
GAGGGAAAGGAACTTGCCCACTGTCAC 0 5011 0   
CAGGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5131 1   
GCTACAGTAGTAGTGGGGGTATATGAG 0 5247 0   
GGCCAGAGTGGGGCTGGAGGGAAGGAC 0 5277 0   
GGTCAGGGGAGACAGCTGGACACAGAC 0 5320 0   
\*  \*  \*  \*  \* \*\*  \*     \* \*   
MAP Score: 6.06369   
  
Motif 24   
GGAGCCGAGTGGGACTTTCCTCTCG 0 10 1   
TGCCTCCCGGCTCTGCCCGCCCTTC 0 36 1   
GAAGAGACGCCCCTGATCCCTCAGC 0 115 1   
GAGGCTGGTGCCCTGCATGTGCTGC 0 163 1   
GGGGGGCCCGGGGCCCCGAGCGGGC 0 189 0   
CAGCCTGCACGCACAGGTCCTCAGC 0 247 0   
CAGCGGCATCCTGCCTGTGTACCAC 0 279 1   
GTCCTCCGTGGCCAGAGCAAAGAGG 0 306 0   
GTGGCTCGGGGGGAACCAGCAGGAC 0 333 0   
CTTCTCCGTGGAGGATGCCAGCACC 0 360 1   
GTTTGGGCTGGAGAAGTGCCACCGC 0 426 1   
GGTGCTCCAGGACTGGCAGGTCAAG 0 484 0   
CAGTGACCTGGTGAGTGGGCGCCTC 0 525 1   
CCTGCTCCTTGAGACTGAGGCCCAC 0 553 0   
CAGCCTGGCCGTGTTGGACCTGGCC 0 588 1   
GGCGCGAGAGCAGGCCCAGCGGCCG 0 618 1   
GGCCTTGTAGCTGACAGTCTTCAGC 0 651 0   
AAGCCTGCGCGACCTGATCCAGGGC 0 687 1   
TGACGCGGAGGCGTATTCGGAGGAC 0 722 1   
CACGCGGCGCAGGGCTCTGCGCACC 0 747 0   
CCGGCACTCGCTCATGGCCAAGTAC 0 789 1   
GACCTGGAGCGGCTGGATCCAGCCG 0 820 1   
GGCCGCCGAGACCTTCCACGTGGGC 0 846 1   
CGTCGTGGCCACCAAGGGCCCCAGG 0 874 0   
CACCAGCCACGCGGAGCAGCCCCAG 0 901 0   
CGGCGGCATCGCCTGGACCCAGGGA 0 927 1   
GTCGCAGAAGGGCTGGAGGACCTCC 0 957 0   
CATCAAGCAGGCCCCGCGCGTTGGC 0 1005 1   
CAGTGACCAGGCGGTGCTCTCCGGC 0 1033 0   
ATTTTAGAGGCCGAGTTCCCAGGGC 0 1078 1   
GCCCGAGGCTCTGTCGTTCGTGGCG 0 1104 1   
CGTGGTCAGCCGGAAGTAGCCGTCC 0 1134 0   
CTTCTGCAAGGAGGTGGCACCGCCG 0 1173 1   
GCTGCTGGAGGAAGTGGCCGAGCAG 0 1200 1   
CATCACTCTGGACTTTGCCATCAAC 0 1236 1   
CTGGGGGCTCACGTCCTGGCTCCTA 0 1271 1   
CCAGGACTTTGACAGCTTCCTCCTC 0 1314 1   
CAGGACCAAGGGGGTTCTGGACACA 0 1345 0   
GGGGCTGCGCCGGATGAGGCAGCCC 0 1377 0   
CTTCTGGTTGGCCTCAGCCGACCCC 0 1414 1   
CTGCTGGGATGGGGGGCTGCACGTA 0 1467 1   
TCACTTCCTGCTGTATCCCCAGACC 0 1511 1   
GATCGTGGTCCAGAGAGGTCACAGC 0 1554 1   
GCTGGTATTGGGATTGGGGCTGAAC 0 1597 0   
CCACTCCAGGCTGTCAGCAGGGATC 0 1644 0   
CCTGGGCCATGGGTCCTTCACCAAG 0 1677 1   
CCACCTCATGGCGACAGCCCCGGTA 0 1705 0   
GATGGGGAGGCCCGAAAGACAGAGG 0 1732 1   
GCTGCTGAAGGTCATGGATGCCAAG 0 1758 1   
GAACTGCATGGAGTCATTCCTGGAA 0 1788 1   
GAGCTTGATGAGCCAAGTGTCGTAC 0 1818 1   
CGCCGTGGAGCAGCACGAGATGCCG 0 1843 0   
CACCATGGTGCTGTCTCCAGCCATG 0 1872 0   
AGCTGGCTGGCACCAGGTGGCCACG 0 1942 0   
GCTGCAGGTGGTCAAACAGCTGGCC 0 1971 1   
CTATCTGGAGGACAAAGGCCTGCCC 0 2007 1   
GAGCCAGGAGCACCTTCCGGGCAGA 0 2044 0   
GAAGGGCGGGCTCCCATCAGCCCCC 0 2073 0   
CAGCCCCGCTGTGTTAAGCCTGGAG 0 2121 1   
CACCCAGGGGATCCTGTCGGTGAGC 0 2148 0   
GCCCCCGAGTGTCTCCGGGAGGCGC 0 2173 1   
GACCGTGGCGCCGAAGCCCCACTTG 0 2220 0   
CGTCACCATGCCCATCAGTGCCCTG 0 2262 1   
CCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTCATA 0 2311 0   
CAGCAGGGCCAGCTCTGTCCACTTG 0 2340 0   
ACAGTGCATGGCCTATGAGCCGGTC 0 2370 1   
GAGCTCCTCTCAGACCCCACACCTG 0 2455 1   
GGTCTTGGCAGGCATAGAGCTGGGC 0 2515 0   
CACGATCTTCGAGGAGAGACACCTC 0 2541 1   
CATCTCACAGCTGGGCAAGGGCAAC 0 2571 1   
GTGGAGCTGTGCCGCTATGACCCGC 0 2605 1   
GCCCTGGTGGCCGTGAAACAGCTGC 0 2647 1   
GCACAGCGGGCCAGACCAGCAGAGG 0 2673 1   
ATCGTGGTGTCAGCTATGGCCCGGG 0 2756 1   
CATGACCAGCCGCAGGCTCTGGCGG 0 2781 0   
GCGCAAGCAGCCGCTGGGCAGGTAC 0 2808 0   
CTTCCTGCAGCGGCACCGCGCGCGC 0 2835 1   
GTACTCCATGCCCTTGCAGATCTGC 0 2892 0   
GGGCTCCCGCCGCTGCGTGCACCGC 0 2919 1   
CCTGGCCGCCCGAAACATCCTCGTG 0 2946 1   
GGCCTAGCTAAGCTGCTGCCGCTTG 0 3004 1   
AGACTACTACGTGGTCCGCGAGCCA 0 3033 1   
CTGGAGCTTCGGGGTCGTCCTGTAC 0 3129 1   
GCTTTTGTCGCAGTAGGTGAAGAGC 0 3156 0   
CAGCCCCTCGGCCGAGTTCCTGCGG 0 3183 1   
GGATGTGAGCGGGATGTCCCCGCCC 0 3214 1   
CCTCCTCCAGCAGTTCCAAGAGGCG 0 3244 0   
GAGGCTGCCGGCGCCTCCTGCCTGC 0 3273 1   
GGTTCACGAGCTCATGAAGCTGTGC 0 3306 1   
GCCCAGGGCGCTGAATGATGGCCGG 0 3351 0   
CATGCTGTGGAGCGGAAGCCGGGGG 0 3387 1   
AGTGGTGTTTGCCCTCTGGGTGAGC 0 3433 0   
ATAGCTCCTGCCCGCAGACCTCTGG 0 3471 1   
GGCCCAGAGAGGGGCAGCTCCGGGC 0 3530 0   
TATGAGGGTCCTCTACTTCAGGAAC 0 3565 1   
CAGGGGGCCAGGGCTTAAGGGGTTG 0 3754 0   
GAGCCTCGCTCTGTTACCCAGGGTG 0 3839 1   
GCAGAGGTTGCACTGAGCCGAGATC 0 3878 0   
GCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGA 0 3904 0   
GATCAGCCTGGCCATCATGGTGAAA 0 4009 0   
GGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAAC 0 4169 0   
GACGGAGTCTCGCTCTGTCGCCCAG 0 4319 1   
CCAGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGC 0 4369 0   
CTACTTGGGAGGCTGAGGCGAGAGA 0 4405 0   
CTACAGGCGCCCGCCACCACACCCG 0 4436 1   
AGGCATGAGCCACTGCGCCCGGCCC 0 4574 1   
CTGGGACTCTGCCTTTTAGGGGAGC 0 4686 1   
GCCTTTCCTGCCCCCTTTCAGGATC 0 4727 0   
CTACAAGGGGCACAAAGGGATGACA 0 4839 1   
GCTTGGCATGCTGTTCCCTCTGCCA 0 4914 0   
CCCTCTCTGGGTCTCAGTTCTGTCC 0 5033 1   
GGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5133 1   
GTGGTAGCTGGAGTTTTGAGAGATG 0 5206 0   
GTGGGGCTGGAGGGAAGGACAGGGC 0 5272 0   
CTGTGTCCAGCTGTCTCCCCTGACC 0 5322 1   
GGGTTCCTTGGGGGCTGGGCTGAGG 0 5350 1   
\*  \*  \*  \*\* \*     \*\* \*  \*   
MAP Score: 3.01779   
  
Motif 25   
GAAGGGCGGGCAGAGCCGGGAGGCAGC 0 34 0   
CTTGCCTAGCGGGCAGGGACCCTGGAC 0 65 0   
GGCGTCTCTTCACTTGGAGGTGCCATG 0 99 0   
GCACATGCAGGGCACCAGCCTCCGTGG 0 158 0   
GGGGGCCCGGGGCCCCGAGCGGGCAGC 0 186 0   
CAGGTCCTCAGCCAAGTGGTCCCCAAA 0 232 0   
GATGCCGCTGGCCTTGGCAGCCTGCAC 0 262 0   
CAGAGCAAAGAGGGAGTGGTACACAGG 0 292 0   
CGGGGGGAACCAGCAGGACAGGTCCTC 0 325 0   
GCTGGCATCCTCCACGGAGAAGATGTG 0 355 0   
GAAGCGGTGGCACTTCTCCAGCCCAAA 0 427 0   
CTTGACCTGCCAGTCCTGGAGCACCTC 0 484 1   
CACCGCAGTGACCTGGTGAGTGGGCGC 0 520 1   
CTGCTCCTTGAGACTGAGGCCCACGGG 0 550 0   
CAACACGGCCAGGCTGAGACACTCACC 0 577 0   
CTGCTCTCGCGCCATCCGGGCCAGGTC 0 604 0   
GCCCAGCGGCCGGGAGAGCTGCTGAAG 0 631 1   
GGTCGCGCAGGCTTGGGGGTAGGCAGG 0 674 0   
CCAGGGCCTGAGCTTCGTGACGCGGAG 0 705 1   
GGACGGTGCGCAGAGCCCTGCGCCGCG 0 743 1   
GCCGCCTGCCAGGCAGACCGGCACTCG 0 772 1   
CAGGTCCATGATGTACTTGGCCATGAG 0 799 0   
GAGCGGCTGGATCCAGCCGGGGCCGCC 0 826 1   
CACGTGGGCCTCCCTGGGGCCCTTGGT 0 862 1   
GCGGAGCAGCCCCAGCCCGTCGTGGCC 0 889 0   
GTGGCTGGTGACGGCGGCATCGCCTGG 0 916 1   
GCTGGAGGACCTCCTGTTCTCCCTGGG 0 944 0   
CGGGGCCTGCTTGATGCTAATGTCTAC 0 994 0   
CGCGTTGGCCCGGCCGGAGAGCACCGC 0 1021 1   
CTCGGGCAGCCCTGGGAACTCGGCCTC 0 1084 0   
GTCCACGAGCGCCACGAACGACAGAGC 0 1111 0   
GTGCTGGGAGTCCGTGGTCAGCCGGAA 0 1144 0   
CTTCTGCAAGGAGGTGGCACCGCCGAG 0 1173 1   
CTGCTGGAGGAAGTGGCCGAGCAGTGC 0 1201 1   
CTTGAGCTTGTTGATGGCAAAGTCCAG 0 1243 0   
CTGGGGGCTCACGTCCTGGCTCCTATG 0 1271 1   
GCTGTCAAAGTCCTGGGGGCTGCGGCG 0 1303 0   
GTCCAGAACCCCCTTGGTCCTGATTAT 0 1348 1   
GGGCTGCCTCATCCGGCGCAGCCCCAC 0 1377 1   
GTGGGGTCGGCTGAGGCCAACCAGAAG 0 1414 0   
GCAACCTGCTGGGATGGGGGGCTGCAC 0 1462 1   
CAGCAGGAAGTGAGGGTCACTGCCACC 0 1497 0   
CTGGACCACGATCAGGTTGGACTTTTC 0 1540 0   
GAGGTCACAGCCCACCCACATCATCCT 0 1568 1   
GTTCTCATGCCACTCCAGGCTGTCAGC 0 1651 0   
CGGGGCTGTCGCCATGAGGTGGTGGAT 0 1708 1   
GAGGCCCGAAAGACAGAGGTGCTGCTG 0 1738 1   
CAGGAATGACTCCATGCAGTTCTTGTG 0 1783 0   
CGACACTTGGCTCATCAAGCTCGCTGC 0 1813 0   
CCGGCATCTCGTGCTGCTCCACGGCGT 0 1842 1   
CACCTGCAGCTTCCAGCTGGCTGGCAC 0 1954 0   
CAGATAGTTGAGGGCGTAGGCCAGCTG 0 1987 0   
CCCGAGCCAGGAGCACCTTCCGGGCAG 0 2045 0   
CCTGTCGGTGAGCATCTCCAGGCTTAA 0 2134 0   
CTGGGTGGCCCCCGAGTGTCTCCGGGA 0 2166 1   
CGTGGCGCCGAAGCCCCACTTGTCAGC 0 2215 0   
CAGGGCACTGATGGGCATGGTGACGCC 0 2260 0   
GGCCGGCAGCTGCTGCCGGTCCTCATA 0 2311 0   
CATGGCCTATGAGCCGGTCCAGAGGCC 0 2376 1   
GGTGCCAGGGCACCAGGTGTGGGGTCT 0 2466 0   
GGGGTCTTGGCAGGCATAGAGCTGGGC 0 2515 0   
GGAGAGACACCTCAAGTACATCTCACA 0 2553 1   
GCTGGGCAAGGGCAACTTTGGCAGCGT 0 2580 1   
CTAGGCGACAATACAGGTGCCCTGGTG 0 2629 1   
GCCGTGAAACAGCTGCAGCACAGCGGG 0 2656 1   
CTGGCGGCCCGGGCCATAGCTGACACC 0 2761 0   
CCTGCGGCTGGTCATGGAGTACCTGCC 0 2790 1   
CGCGACTTCCTGCAGCGGCACCGCGCG 0 2830 1   
GGAATAGAGAAGGAGGCGGCTGGCATC 0 2863 0   
GTACTCCATGCCCTTGCAGATCTGCGA 0 2890 0   
GCGGTGCACGCAGCGGCGGGAGCCCAG 0 2917 0   
CACGAGGATGTTTCGGGCGGCCAGGTC 0 2944 0   
GAAGTCAGCGATCTTGACGTGTGCCTC 0 2977 0   
GCGGACCACGTAGTAGTCTTTGTCAAG 0 3025 0   
CCCCGAATCCCTCTCGGACAACATCTT 0 3084 1   
CCCGAAGCTCCAGACGTCTGACTGGCG 0 3115 0   
GTAGGTGAAGAGCTCGTACAGGACGAC 0 3142 0   
CATCCGCAGGAACTCGGCCGAGGGGCT 0 3184 0   
GCGGCAGAGGGCGGGGACATCCCGCTC 0 3220 0   
GAACTGCTGGAGGAGGGCCAGAGGCTG 0 3253 1   
CGGCGCCTCCTGCCTGCCCTGCTGAGG 0 3281 1   
CGAGCTCATGAAGCTGTGCTGGGCCCC 0 3312 1   
GCCCTGGGCCCCCAGCTGGACATGCTG 0 3367 1   
CATGCCTTCACTGCTCACCCAGAGGGC 0 3421 1   
GCCCGCAGACCTCTGGATTAGGTCTCT 0 3480 1   
GCCCAGAGAGGGGCAGCTCCGGGCCTA 0 3527 0   
CATGGGGGTGTTCCTGAAGTAGAGGAC 0 3572 0   
CTCGGCTCAGTGCAACCTCTGCTTCCC 0 3881 1   
CAAGCGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCC 0 3913 1   
GCTGGGATTACAGGTGTGCACCACCAC 0 3945 1   
GATGGCCAGGCTGATCTCGAACTCCTA 0 4018 1   
CAAGTGATCCTCCCACCTCAGCCTCCC 0 4049 1   
GTTGCCCAGGCTGGTCTTGAACTCCTG 0 4169 1   
CCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCC 0 4322 0   
CTAGGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCT 0 4365 1   
CCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCG 0 4418 1   
GTAGAGACGGGGTTTCACCTTGTTAGC 0 4481 1   
GGAGGCCGAGACGGGCAGATCACGAGG 0 4530 0   
GGAGGAAGCCAAGGACAAGAGCAGTTG 0 4653 1   
GCAGGAAAGGCTGGGGTCCCAGTCCAC 0 4741 1   
CATCCCTTTGTGCCCCTTGTAGGGTGA 0 4834 0   
GCTGTGCAGGGTCAACTTTCTGACTGG 0 5087 1   
CAGGTTAAGCTTCTGCTGCTCCTCCTC 0 5131 1   
GAAGGCTGCAAGGATGTGGTAGCTGGA 0 5219 0   
GGCCAGAGTGGGGCTGGAGGGAAGGAC 0 5277 0   
GGGGAGACAGCTGGACACAGACACTTC 0 5315 0   
CAGCCCAGCCCCCAAGGAACCCTGAGG 0 5345 0   
\*  \* \*   \*  \*  \*  \*  \* \*  \*   
MAP Score: 2.9622